

耐药细菌分析——“只有民族的才是世界的”

张建中

(《微生物学通报》编委会 北京 100101)

细菌的耐药问题已经成为一种全球性的严重威胁^[1],耐甲氧西林金黄色葡萄球菌(MRSA)、多重耐药鲍曼不动杆菌和耐药性艰难梭菌等多种耐药细菌感染疾病负担巨大,中国的情况尤其严重。近期中国研究团队在动物和人源细菌中均发现了一种新型的位于细菌质粒上的粘菌素耐药基因 *mcr-1*^[2],使细菌耐药问题受到进一步关注。

本刊2015年第1期刊登了杨永刚、陈瑜等的研究文章“耐甲氧西林金黄色葡萄球菌分型及流行现状”^[3],文章通过对杭州地区 MRSA 菌株的基因特征、流行变化趋势及进化特点分析,发现 MRSA 菌株有由医院向社区播散的趋势。*SCCmec-II-ST5-spa t311* 为杭州地区的优势菌株,是防控的重点对象,对杭州地区 MRSA 感染防控有重要意义。论文中也包含了对葡萄球菌盒式染色体 *SCCmec* 基因分析、金黄色葡萄球菌 A 蛋白基因(*spa*)分型、多位点序列分型(MLST)及细菌进化关系分析等的标准化方法及重要关联文献,对中国各地 MRSA 流行情况调查及防控具有参考意义。

鲁迅先生在《且介亭杂文集》中有“只有民族的,才是世界的”这句话,同样适用于耐药性分析领域。由于不同人群用药背景的不同,细菌的耐药谱和疾病负担差异很大。在中国,抗生素使用量大、细菌耐药严重,带有研究思路引导性又包含标准化技术方法和研究思路的研究成果用中文发表,极具现实意义,因为大量基层医疗和疾病控制人员亟需这种文献的支持。

关键词: 细菌耐药, 耐甲氧西林金黄色葡萄球菌, 分型

参 考 文 献

- [1] Nischal PM. First global report on antimicrobial resistance released by the WHO[J]. The National Medical Journal of India, 2014, 27(4): 241
- [2] Liu YY, Wang Y, Walsh TR, et al. Emergence of plasmid-mediated colistin resistance mechanism MCR-1 in animals and human beings in China: a microbiological and molecular biological study[J]. The Lancet Infectious Diseases, 2016,16(2): 161-168
- [3] Yang YG, Chen Y, Chen X, et al. Genotype and epidemic status of Methicillin resistant *Staphylococcus aureus* in Hangzhou area[J]. Microbiology China, 2015, 42(1): 110-116 (in Chinese)
杨永刚, 陈瑜, 陈晓, 等. 耐甲氧西林金黄色葡萄球菌分型及流行现状[J]. 微生物学通报, 2015, 42(1): 110-116

Analysis of resistant bacteria —“Only things of a national touch can prevail in the world”

ZHANG Jian-Zhong

(The Editorial Board of Microbiology China, Beijing 100101, China)

Keywords: Antimicrobial resistance, MRSA, Typing