

水浮莲中一株西瓜枯萎病拮抗菌的分离、筛选及鉴定

于蘋蘋¹ 艾山江·阿不都拉² 赵国玉¹ 卡米力·克热木² 吾甫尔·米吉提^{1*}

(1. 新疆大学生命科学与技术学院 乌鲁木齐 830046)

(2. 新疆师范大学生命科学与化学学院基因工程室 乌鲁木齐 830054)

摘要: 从水浮莲(*Pistia stratiotes* L.)的叶中分离出1株对西瓜枯萎病有明显拮抗作用的内生细菌XJPL-YB-26, 其发酵液上清在280 nm处有最大紫外吸收峰。利用软件Primer 6.0设计16S rDNA引物并对其基因组DNA进行扩增并测序得到XJPL-YB-26的部分16S rDNA序列, GenBank接收号为EU251191。经Blastn调出与菌株16S rDNA同源的序列, 并用软件MEGA 3.1按Neighbor-Joining方法构建16S rDNA系统发育树。菌株XJPL-YB-26与AB271744处于同一分支, 相似性为99%, 最终鉴定为枯草芽孢杆菌 *Bacillus subtilis*。

关键词: 水浮莲, 内生菌, 拮抗作用, 鉴定

Isolation, Screening and Identification of an Antagonistic Bacterial Against *Fusarium oxysporum* f. sp. *niveum* from *Pistia stratiotes* L.

YU Pin-Pin¹ Hasanjan·Abdulla² ZHAO Guo-Yu¹ Kamil·Keram² Ghopur·Mijit^{1*}

(1. College of Life Science and Technology, Xinjiang University, Urumqi 830046)

(2. College of Life Science and Chemistry, Xinjiang Normal University, Urumqi 830054)

Abstract: One endophytic bacteria named XJPL-YB-26 had obvious antagonistic action against *Fusarium oxysporum* f. sp. *niveum* was isolated from leaves of *Pistia stratiotes* L., the absorption peak of its metabolizable production is 280 nm. The part 16S rDNA was PCR using the primer designed by Primer 6.0 and sequenced. The accession of GenBank is EU251191. The 16S rDNA phylogenetic tree was constructed by comparing with published 16S rDNA sequences of the relative bacteria species. XJPL-YB-26 and AB271744 was the closest relative with 99% sequence similarity. According to the phylogenetic analysis, it was identified as *Bacillus subtilis*.

Keywords: *Pistia stratiotes* L., Endophyte, Antagonistic action, Identification

基金项目: 国家自然科学基金项目(No. 30560004)

*通讯作者: Tel: 0991-8583063; E-mail: gmijit2001@yahoo.com.cn

收稿日期: 2007-12-10; 接受日期: 2008-03-05

植物内生菌(endophyte)是指真菌、细菌或放线菌,其生活史的一定阶段或全部阶段生活于植物各组织器官内部或细胞间隙,给活体植物造成不明显或无症状的影响,而且不造成伤害^[1]。这很可能是由外源微生物侵入植物并在长期的共生过程中形成的^[2]。植物内生细菌不仅将植物作为栖息场所,而且对寄主植物有促生、防病、固氮等广泛的生物学作用,是植物病害生物防治、内生联合固氮菌筛选、诱导抗病性及转基因载体等功能的天然菌源,具有较高的理论研究价值和实际应用价值,成为微生物学和植物学的又一研究热点^[3-5]。近几年来,将植物内生菌应用于植物病害防治方面的研究正逐步深入并取得了可喜的成果,因此,将植物内生菌应用于植物病害防治已成为在植物病害生物防治方面极具潜力的又一新途^[6-8]。

水浮莲(*Pistia stratiotes* L.)俗称大薸,是一种多年生浮水无茎(退化)草本植物,具有较强的酸碱度耐性,能够正常生长于高浓度有机物废水中并对其高效净化,使病原菌的数量大大减少^[9]。此外,水浮莲具有天然的杀菌作用,自古以来就被亚洲人作为药材使用。例如:在我国用于治疗皮肤病,在马来西亚用于治疗淋病,在印度用于治疗痢疾^[10]。水浮莲的生存环境及药用价值决定了其内生菌的特殊性。据此,本研究将水浮莲作为材料进行内生菌的分离以及对农作物致病菌的拮抗菌株筛选。本文首次报道有关水浮莲内生菌的研究。

1 材料

1.1 供实植物

水浮莲(*Pistia stratiotes* L.),由乌孜别克斯坦共和国科学院微生物所提供。

1.2 农作物致病菌

黄瓜枯萎病菌(*Fusarium oxysporum* f. sp. *cucumerinum*);棉花枯萎病菌(*Fusarium oxysporum* f. sp. *vasinfectum*);西瓜枯萎病菌(*Fusarium oxysporum* f. sp. *niveum*);苹果斑点落叶病菌(*Alternaria malii*);葡萄白腐病菌(*Coniothyrium diplodiella*);稻瘟病菌(*Magnaporthe grisea*);番茄灰霉病菌(*Botrytis cinerea*);油菜菌核病菌(*Sclerotinia sclerotiorum*);小麦赤霉病菌(*Gibberella zeae*);棉花黄萎病菌(*Verticillium dahliae*);玉米小斑病菌(*Bipolaris maydis*)。以

上农作物致病菌均购自中国农业科学院农业资源与农业区划研究所菌种中心。

1.3 培养基

马铃薯琼脂培养基(PDA),配方参考文献[11]。

1.4 扩增引物

primer 1: 5'-atcctggctcaggacgaac-3', primer 2: 5'-cgacttcaccccaatcatct-3',由上海生工生物工程技术服务有限公司合成。

2 方法

2.1 内生菌分离

取新鲜水浮莲,清洗干净,分别对根和叶子进行表面消毒:(1)根:70%乙醇10 min,无菌水清洗3~5次,每次3 min,1%次氯酸钠4 min,无菌水清洗3~5次,每次5 min;(2)叶子:70%乙醇10 min,无菌水清洗3~5次,每次3 min,1%次氯酸钠3 min,无菌水清洗3~5次,每次5 min。

无菌研钵研磨,4层灭菌纱布过滤取滤汁,然后分别取200 μL于PDA平板上,用涂布棒涂匀,于28℃恒温箱中培养3 d后计数菌落数,并根据颜色和形态的差异挑取不同菌落,重新在平板上纯化,并于试管中斜面保存、备用。

2.2 表面消毒方法的可行性验证

另附3组对照:(1)经表面消毒但未研磨的根和叶子;(2)最后一次清洗后的无菌水;(3)操作过程中敞口置于超净工作台里的空白培养基。以上3组也同样于28℃恒温箱中培养3 d。

2.3 拮抗实验

2.3.1 致病菌菌悬液的制备: 将农作物致病菌接种于PDA液体培养基中,28℃,200 r/min振荡培养3 d~5 d。

2.3.2 内生菌菌悬液的制备: 将分离得到的各个内生细菌接种于PDA液体培养基中,37℃,150 r/min振荡培养72 h,菌悬液离心(12000 r/min,10 min),取上清,4℃保存备用。

2.3.3 拮抗实验: 1)采用平板扩散法。用打孔器在PDA固体培养基中央打孔5 mm,2%琼脂封底,200 μL致病菌菌悬液于培养基上涂匀,孔中注入60 μL上清液;2)采用对峙法。将内生细菌接种于PDA平皿中心,距中心3 cm~4 cm处接种需要检测的致病菌菌块(直径5 mm)。

于 28 恒温箱中培养 5 d~10 d, 观察有无抑菌圈并测量其直径。该实验重复 3 次, 直径取平均值。

2.4 生理生化初步鉴定

参照文献[12]。

2.5 分子鉴定

2.5.1 DNA提取: 用CTAB法^[13]提取基因组DNA。

2.5.2 16S rDNA: 扩增体系: 50 μL 体积中包括 34 μL ddH₂O, 5 μL Buffer, 5 μL dNTPs, 2 μL primer1, 2 μL primer 2, 2 μL DNA, 0.25 μL Taq酶 5 U/μL; 扩增条件: 94 预变性 5 min; 94 变性 45 s, 61.2 退火 1 min, 72 延伸 2 min, 35 个循环; 72 延伸 8 min; 4 终止反应。

2.5.3 扩增产物测序: PCR 产物由 TaKaRa 公司测序。

2.5.4 系统发育分析: 根据测序结果, 先利用 Blastn 搜索软件从 GenBank 等数据库中调出相关属种菌株的 16S rRNA 基因序列, 并通过软件 MEGA 3.1 采用 N-J 法构建系统进化树。

2.6 拮抗物质的紫外光谱分析

以空白 PDA 液体培养基为对照, 在 220 nm~400 nm 范围内对内生菌株 XJPL-YB-26 的发酵液上清(用蒸馏水按照 1:1 的比例稀释)进行紫外光谱扫描。

3 结果

3.1 内生菌分离

3.1.1 表面消毒方法的可行性验证: 观察 3 组对照, 未出现任何菌落, 表明经过表面消毒过程, 植物表面附生菌的影响已经消除, 且超净工作台严格无菌, 所分离的菌株的确来自于植物内部, 与植物组织结合紧密, 该消毒方法是可行的。

3.1.2 分离结果: 根据颜色和形态的差异, 在 PDA 上共分离出 28 株内生细菌(其中根中分离出 11 株, 叶中分离出 17 株)。

3.2 拮抗实验

用平板扩散法从所分离出的 28 株内生菌中筛选出 1 株对西瓜枯萎病菌有拮抗作用的内生菌 XJPL-YB-26, 抑菌圈直径为 30 mm(图 1)。

3.3 生理生化初步鉴定

根据文献[12]中鉴定枯草芽孢杆菌的主要生理

生化指标进行检测, 其特征均与枯草芽孢杆菌的主要指标相符合, 这初步表明 3 株菌为枯草芽孢杆菌, 如表 1 所示。

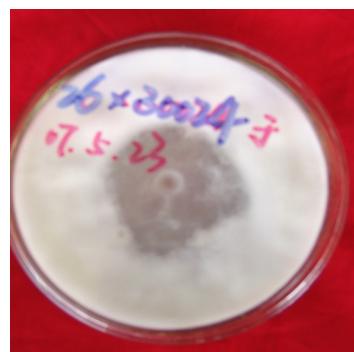


图 1 拮抗菌的拮抗图谱(XJPS-26 对西瓜枯萎病菌)

Fig. 1 Antagonistic maps of antagonistic bacterial (XJPL-YB-26 against *Fusarium oxysporum* f. sp. *niveum*)

表 1 生理生化实验结果	
鉴别特征 Characteristic	XJPL-YB-50
G	+
形态 Shap	Bacillus
芽孢 Endospore	+
苯丙氨酸脱氢酶 Phenylalanine deaminase	-
V.P	+
厌氧生长 Anaerobic	-
接触酶 Catalase	+
淀粉水解 Amylolysis	+
D-葡萄糖产酸 Produce acid with D-glucose	+
L-阿拉伯糖产酸 Produce acid with L-gum sugar	+
D-木糖产酸 Produce acid with D-xylose	+
D-甘露醇产酸 Produce acid with D-Mannitol	+
葡萄糖产气 Produce gas with glucose	-
水解酪蛋白 Casein hydrolyzation	+
水解明胶 Gelatin hydrolyzation	+
利用柠檬酸盐 Make use of Citate	+
利用丙酸盐 Make use of propionate	-
酪氨酸水解 Tyrosine hydrolyzation	+
硝酸盐还原到亚硝酸盐 Niteate deoxidization	+
形成吲哚 Indole	+
生长 pH 6.8 营养肉汤	+
Growp in pH 6.8 Nutrient broth medium	
生长 pH 5.7 营养肉汤	+
Growp in pH 5.7 Nutrient broth medium	
生长 2% NaCl Growp in 2% NaCl	+
生长 5% NaCl Growp in 5% NaCl	+
生长 7% NaCl Growp in 7% NaCl	+
生长 10% NaCl Growp in 10% NaCl	+

注: +: 阳性反应; -: 阴性反应

Note: + : Positive reaction; -: Negative reaction

3.4 16S rRNA 基因序列分析

菌株 XJPL-YB-26 的 16S rRNA 基因序列全长为 1410 bp, 此序列已在 GenBank 中注册, 注册号为 EU251191, 将其与从 GenBank 等数据库中调取的与枯草芽孢杆菌相关菌株的 16S rDNA 序列进行比较, 所构建的系统进化树见图 2。系统进化树显示, 菌株 XJPL-YB-26 与 AB271744 构成一个分支, 16S rRNA 序列的同源性达到 99%。

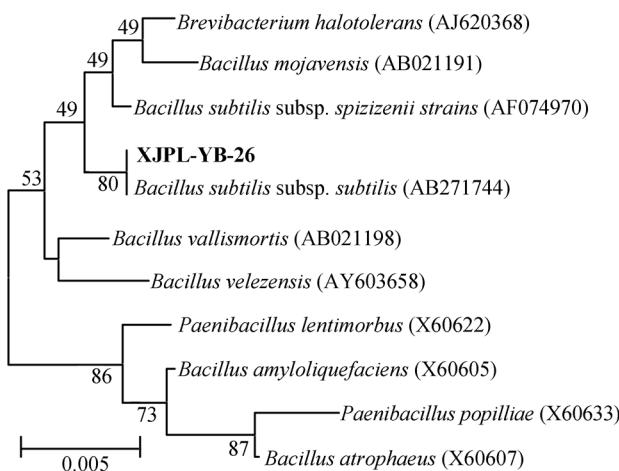


图 2 菌株 XJPL-YB-26 以及从 GenBank 等数据库中调集的相关菌种构建的以 16S rDNA 序列为依据的系统发育树
Fig. 2 Neighbo-Joining tree constructed showing the phylogenetic relationships among XJPL-YB-26 and other related strains downloaded from GenBank

3.5 拮抗活性物质的紫外光谱分析

水浮莲内生菌株 XJPL-YB-26 的紫外吸收光谱在 280 nm 处有最大吸收峰, 如图 3 所示。

4 讨论

枯草芽孢杆菌(*Bacillus subtilis*)生长快, 营养简单, 能够形成有较强抗逆性的芽孢, 具有抑制多种植物病害的能力, 又是自然界广泛存在的非致病菌, 对人畜无害, 不污染环境, 是目前应用较广的理想生防菌^[14]。菌株 XJPL-YB-26 的 16S rRNA 基因序列系统进化树显示, 菌株 XJPL-YB-26 与 AB271744 构成一个分支, 16S rRNA 序列的同源性达到 99%, 其生理生化结果也与 *Bacillus subtilis* 的主要鉴定指标相符, 初步鉴定为 *Bacillus subtilis*。以空白 PDA 液体培养基作对照, 测得水浮莲内生菌 XJPL-YB-26 发酵液上清的紫外吸收光谱在 280 nm 处有最大吸收峰。在拮抗实验过程中还发现, 水浮莲内生菌 XJPL-YB-26 并非抑制菌丝生长直接形成抑菌圈, 而是等致病菌长满整个培养基平板后(大约 3 d~4 d), 孔周围的菌丝才开始慢慢消失而逐渐形成了抑菌圈。初步推测 XJPL-YB-26 对西瓜枯萎病菌的拮抗作用机理很可能是“杀菌”而非简单的“抑菌”, 其拮抗物质及作用机理有待进一步研究。

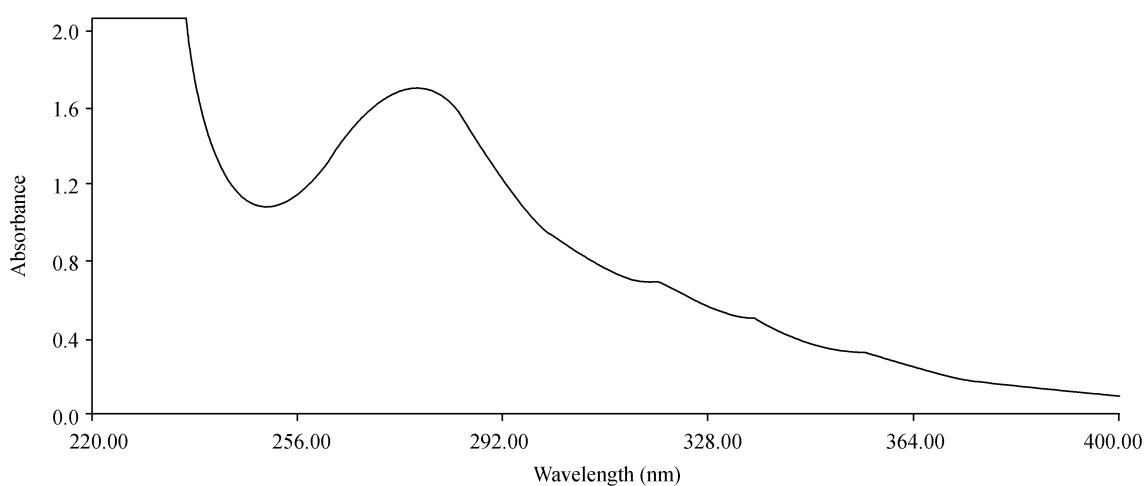


图 3 XJPL-YB-26 发酵液的紫外吸收光谱
Fig. 3 Fermentation liquid's absorption spectra in fermentation about XJPL-YB-26

参 考 文 献

- [1] PeNni O. Fungal endophytes of tree leaves. Andrews JH, Hirano SS, eds. New York: Springer Verlag, 1991,

pp.179~197.

- [2] Agustina Gentile, María Susana Rossi, Daniel Cabral, et al. Origin, divergence, and phylogeny of epichlo endophytes of native Argentine grasses. *Molecular Phylogenetics and Evolution*, 2005, 35: 196~208.

稿件书写规范

专论与综述论文的撰写要点

专论与综述是本刊重要栏目之一，主要反映国内外微生物学各分支学科研究最新成果和进展，其内容要求新颖丰富，观点明确，论述恰当，最好包含作者自己的作品内容和见解。因此，作者在动笔之前必须明确选题，一般原则上应选择在理论和实践中具有重要意义的学科专题进行论述。围绕专题所涉及的各个方面，在综合分析和评价已有资料基础上提出其演变规律和趋势。即掌握其内在的精髓，深入到专题研究的本质，论述其发展前景。作者通过回顾、观察和展望，提出合乎逻辑并具有启迪性的看法和建议。另外，作者也可以采用以汇集文献资料为主的写作方法，辅以注释，客观而有少量评述，使读者对该专题的过去、现在和将来有一个全面、足够的认识。

需要特别说明的是：在专论与综述中引用的文献应该主要是近5年国内外正式发表的研究论文，引用文献数量不限。