

# 检测结直肠组织中人乳头瘤病毒 DNA 的研究

徐芸 王孝华<sup>1)</sup> 陈禹保<sup>2)</sup> 赵明<sup>3)</sup> 林玉兵<sup>2)</sup>

(河南医科大学一附院消化科 郑州 450052)

**摘要** 用人乳头瘤病毒(HPV)高度保守的通用引物和16、18型特异引物对123例结直肠组织作聚合酶链反应(PCR)检测HPV DNA, 总检出率为14.6%。正常粘膜、结肠炎和炎性息肉组为3.3%(2/71), 乳头状腺瘤为17.6%(3/17), 原位癌和浸润癌为37.1%(13/35)。在正常组织、癌旁组织和癌组织HPV DNA阳性率分别为2.9%、5.7%和37.1%。在结直肠肿瘤中HPV感染以18型多见, 18型与16型之比为3:1, HPV在左半结肠以下比右半结肠感染率高。

**关键词** 人乳头瘤病毒 DNA, 结直肠组织, 聚合酶链反应

迄今大量文献报道了某些型的人乳头瘤病毒(HPV)的感染与生殖器肿瘤发生有关<sup>[1,2]</sup>, 此外, HPV也可以感染其他器官的鳞状上皮<sup>[3,4]</sup>但对腺上皮的感染和其与腺癌发生关系的研究, 结论不甚相同<sup>[5,6]</sup>, 我们采用人乳头瘤病毒的高度保守的通用引物和E6、E7区的16、18型特异引物, 对123例结肠镜下结直肠活检标本作聚合酶链反应(PGR), 检测HPV DNA, 目的在于了解与生殖器肿瘤发生有关的16、18型HPV是否与结直肠腺癌的发生也有关。

## 1 材料与方法

### 1.1 取材

标本取自我市几家医院内镜室结肠镜下结直肠活检组织标本共123例, 每例于病变部位取4块, 其中35例结直肠癌病例分别在癌组织、癌旁组织(病变周围5cm以内)和正常组织(病变周围5cm以外的正常处), 各取4块, 2块用福尔马林固定, 待作病理检查, 2块放入盛有TE(0.5mol/L Tris pH 9.0, 0.02mol/L EDTA 0.01mol/L NaCl)缓冲液中, 15mg组织/ml, 于-20℃保存。

### 1.2 方法

提取模板按Rogers BB方法加以改良, 将保存组织块的溶液融化后, 加蛋白酶K至终浓度250μg/ml, 在48℃水浴3h, 再加蛋白酶K至终浓度500μg/ml水浴过夜。用酚-氯仿-异戊醇(50:

49:1)抽提, 乙醇沉淀, 溶于20μl双蒸水中, 待作PCR。PCR试剂由北京科海生物工程公司提供。100μl反应液中, 含10mmol/L Tris-HCl(pH 8.3), 50mmol/L KCl, 1.5mmol/L MgCl<sub>2</sub>, 0.02%明胶, 40μmol/L 4×dNTP, 0.4μmol/L每对引物(序列见表1), 2μl Taq DNA聚合酶, 及5μl模板, 94℃预变性300s后, 94℃45s, 58℃30s, 72℃60s, 35个循环, 扩增产物在2%的用EB染色的琼脂糖凝胶上电泳30min, 紫外灯下观察。通用引物和16、18型特异引物的扩增带分别是450、253和201bp。

### 1.3 病理论断

标本用福尔马林固定后, 常规石蜡包埋、HE染色, 由两位有经验的病理医生诊断, 35例结直肠癌组织全为腺癌。

表1 通用引物和16、18型特异引物序列

引物	序列	产物
通用PL1 5'-CGTCCAAGAGGAAACTGATC-3'		450
通用PL2 5'-GCACAGGGACATAATAATGG-3'		
16型特异1 5'-CCCAGCTGTAAATCATGCATGGAGA-'	253	
16型特异2 5'-GTGTGCCCATTAACAGGTCTTCCA		
18型特异1 5'-CGACAGGAACGACTCCAACGA-3'	201	
18型特异2 5'-GCTGGTAAATGTTGATGATTTAAC-3'		

1)湖南省临床检验中心, 长沙, 410045, 2)北京科海生物工程公司, 3)河南省肿瘤医院综合病房

## 1.4 统计学处理

用卡方检验。

## 2 结果与讨论

### 2.1 不同病变类型结直肠病变中 HPV DNA 的检出

将123例结直肠癌组织活检标本用HPV通用引物扩增出18例HPV DNA阳性的标本，阳性率为14.6%，再分别用16、18型特异引物扩增，结果见表2：表中显示正常粘膜、结肠炎和炎性息肉三组共71例，HPV DNA阳性2例，阳性率为3.3%，结直肠乳头状腺瘤17例，阳性4例，阳性率为17.6%，结直肠癌35例，阳性13例，阳性率为37.1%。将这三组比较， $\chi^2=22.14$ ， $P < 0.005$ ，说明差异显著。结直肠癌HPV DNA感染率明显高于其他组。我们发现除在乳头状腺瘤组有3例16、18型HPV DNA检出外其他良性病变中均未发现有HPV16、18型的感染。

表2 不同类型的结直肠病变中HPV DNA的检出情况

病变类型	病例数	HPV+	HPV分型		HPV型别
			16型	18	
正常粘膜	30	1	0	0	
结肠炎	30	1	3.3	0	
炎性息肉	11	0	0	0	
乳头状腺瘤	17	3	17.6	0	16型
原位癌	9	3		1	18型
浸润癌	26	10	37.1	2	
合计	123	18	14.6	3	

### 2.2 HPV DNA的检出率

将35例结直肠癌病例的癌组织、癌旁组织和正常组织进行HPV DNA检测，发现正常组织、癌旁组织和癌组织HPV DNA检出率依次升高。类似于Togawa报道的在食管鳞状细胞癌中HPV检出率为14%，而在癌旁正常组织无一例发现<sup>[7]</sup>。一般认为16型与鳞癌发生关系较密切，而18型多与腺癌有关，从表3可见，在结直肠癌中HPV感染也以18型占多数，16型与18型之比为1/3。Koulos<sup>[9]</sup>在其试验

中得出8例HPV DNA阳性的肛门癌病人，2例鳞癌均为HPV16阳性，6例腺癌均为HPV18阳性。但是，他检测的3例腺瘤样息肉和7例结直肠腺癌均未发现有HPV DNA存在。该结果也许是病例较少所致，与此相反，许多学者<sup>[10,11,12]</sup>无论是在各型结肠腺瘤或腺癌及结肠癌细胞系中都用免疫组织化学的方法证明了HPV抗原的存在，并用探针杂交、PCR扩增的方法证实了HPV DNA的存在。这些结论的差异还有待进一步研究。关于16、18型HPV在肿瘤发生中的作用，Lewensohn<sup>[3]</sup>和Chang<sup>[10]</sup>都认为是由于16、18型HPV可通过使P53基因突变而使之异常表达，或HPV的E6蛋白与P53蛋白的相互作用而影响抑癌基因的作用正常发挥所致。

表3 23例结直肠不同部位HPV DNA检测情况

病变部位	例数	HPV+	%	HPV型别	
				16型	18型
癌组织	35	13	37.1	3	9
癌旁组织	35	2	5.7	1	1
正常组织	35	1	2.9	0	1

### 2.3 结直肠不同部位HPV感染情况

在123例结直肠活检标本中，有35例取自直肠，50例取自左半结肠，38例取自右半结肠，其各部位HPV检测情况见表4：HPV检出率以左半结肠以下较高，右半结肠仅1例。这可能由于HPV感染途径多来源于会阴部，所以直肠和左半结肠的感染机会多于

表4 结直肠不同部位HPV感染情况

病变类型	直肠		左半结肠		右半结肠	
	病例数	HPV+%	病例数	HPV+%	病例数	HPV+%
正常粘膜	10	1	10	0	10	0
结肠炎	10	0	10	1	10	0
炎性息肉	3	0	4	0	4	0
乳头状腺瘤	3	2	10	1	4	0
原位癌	1	1	3	2	5	0
浸润癌	8	6	13	3	5	1
合计	35	10	28.6	50	7	14
					38	1
						2.6

右半结肠,这可以对 Koulos<sup>[9]</sup>及 Shroyer<sup>[5]</sup>等作者在结直肠腺瘤和腺癌中未检出 HPV 作一解释,也许是其取材部位多位于右半结肠有关。

本文通过用 HPV 高度保守的通用引物对 123 例结直肠癌组织用 PCR 检测 HPV DNA,阳性率为 14.6%,结直肠癌组明显高于其他两组,有癌变可能性的结直肠乳头状腺瘤 HPV DNA 检出率也有 17.6%,并且癌组织比癌旁组织和正常组织 HPV DNA 检出率明显增高,说明结直肠癌的发生与 HPV,特别是其 18 型有一定的关系。同时发现,越是接近肛门 HPV 感染机会就越多。

## 参 考 文 献

- [1] Gissman L. Cancer Surv, 1984, 3: 161~168.
- [2] McCane D J. Br J Obstet, Gynaecol, 1985, 92: 1101~1105.
- [3] Lewensohn F I. Anticancer Res, 1994, 14: 1281~1283.
- [4] Ogura H. Jpn J Clin Oncol, 1993, 23: 221~225.
- [5] Shroyer K R. Arch Surg, 1992, 127: 741~744.
- [6] Kirgan D. Arch Surg, 1990, 125: 862~865.
- [7] Roger B B. Am J Path, 1990, 136: 541~548.
- [8] Togawa K. Gastroenterology, 1994, 107: 128~136.
- [9] Koulos J. Mod Pathol, 1991, 4: 58~61.
- [10] Chang F. Br J Cancer, 1994, 70: 346~351.
- [11] Cheng Jhy Y. Arch Sur, 1995, 130: 73~76.
- [12] Cheng Jhy Y. Gut, 1993, 34: 1710~1713.

## DETECTION OF HUMAN PAPILLOMAVIRUS DNA IN COLORECTAL CARCINOMA

Xu Yun Wang Xiaohua<sup>1)</sup> Chen Yubao<sup>2)</sup> Zhao Ming<sup>3)</sup> Lin Yubing<sup>2)</sup>

(Department of Gastrointestiology, The First Affiliated Hospital of Henan Medical University, Zhengzhou, 450052, 1)

Hunan Clinic Laboratory Control Center, 2) Beijing Kehai Medical and Biological Engineering Company, 3) Department of Comprehensive, Oncology Hospital of Henan Province, Zhengzhou 450003)

**Abstract** Piopsy specimens from colorectum of 123 patients were analysed for human papillomavirus (HPV) by polymerase chain reaction (PCR). We used general consensus primers and type-specific primers (16,18). HPV DNA was detected in 14.6% of piopies. There were two of 17 in normal (3.3%), colorectitis and inflammatory polyps, three of 17 in papillate adenomas (17.6%) and thirteen of 35 in colorectal. Detection rate of HPV DNA in normal, adjacent carcinoma and carcinoma were 13 / 35 (37.1%), 2 / 35(5.7%) and 1 / 35(2.9%) respectively. HPV was predominantly type 18 in colorectal carcinoma. The inflammatory rate is higher in rectum and left colon than right colon.

**Key words** Human Papillomavirus DNA, colorectal carcinoma, PCR