

## 技术与方法

## 一种有效的DNA序列测定方法

洪 益 国

(中国科学院微生物研究所,北京 100080)

**摘要** 比较了单链和双链DNA(ss 和 dsDNA)模板和两种不同的聚丙烯酰胺凝胶电泳对DNA序列测定的影响。结果表明:在相同的条件下,ssDNA模板明显优于dsDNA模板;缓冲液梯度聚丙烯酰胺凝胶电泳测定DNA序列的长度在40cm长的胶上可达350nt,而一般的线性聚丙烯酰胺凝胶电泳才可测150nt。对于基因组序列分析,采用单链DNA模板和缓冲液梯度聚丙烯酰胺凝胶电泳是一种有效的测定方法。

**关键词** DNA序列测定;单链和双链DNA模板;线性和缓冲液梯度聚丙烯酰胺凝胶电泳

DNA序列分析包括酶法<sup>[1]</sup>和化学裂解法<sup>[2]</sup>是分子生物学研究中最重要的技术之一,而常用的是Sanger的双脱氧末端终止法(酶法)<sup>[3]</sup>,其测定的准确性和效率受多种因素的影响,这些因素包括DNA模板的种类和质量,不同的DNA聚合酶,同位素标记的dNTPs([ $\alpha$ -<sup>32</sup>P]-dNTPs和[ $\alpha$ -<sup>35</sup>S]-dATP)的用量,dNTPs与ddNTPs的浓度以及聚丙烯酰胺凝胶电泳的选择等。本文利用Pharmacia <sup>32</sup>P序列试剂盒,比较了ss和dsDNA模板及线性和缓冲液梯度聚丙烯酰胺凝胶电泳对DNA序列测定的影响,寻求一种有效的DNA序列分析方法。

## 材料和方法

## (一) 试剂和材料

[ $\alpha$ -<sup>32</sup>P]-dATP,Amersham公司产品,3000 Ci/m mol,10 $\mu$ Ci/ $\mu$ l;<sup>32</sup>P序列试剂盒,Pharmacia公司产品,TEMED和尿素,Sigma公司产品。

10×TBE: 0.9 mol/L Tris,0.9mol/L 磷酸,20mmol/L EDTA, pH8.3。

胶母液: 38%丙烯酰胺,2%甲叉双丙烯酰胺溶于水中。

25%过硫酸胺水溶液。

2.5×缓冲液梯度胶母液(100ml): 15ml 胶

母液,25ml 10×TBE,5%蔗糖,8mol/L 尿素,0.005%溴酚蓝。

0.5×缓冲液梯度胶母液(250ml): 12.5ml 10×TBE,37.5ml 胶母液,8mol/L 尿素。

## (二) DNA模板的制备

1. dsDNA模板: 将木薯花叶病毒的ds cDNA片段与载体pUC19连接,转化DH5 $\alpha$ ,接种重组菌落于含有100 $\mu$ g/ml青霉素的3ml LB(1.0% tryptone, 0.5% yeast extract, 1.0% NaCl)中,37℃培养过夜,15000r/min离心5min收集菌体,加100 $\mu$ l溶菌酶溶液(50 mmol/L葡萄糖,10mmol/L EDTA,25mmol/L Tris-HCl pH8.0, 4.0mg/ml溶菌酶),置室温5min后,加200 $\mu$ l 0.2 mol/L NaOH, 1.0% SDS溶液,置冰上5min,再加150 $\mu$ l 3 mol/L KAc(pH4.8),离心后,等体积酚-氯仿抽提上清液,乙醇沉淀质粒dsDNA,75%乙醇洗涤,干燥后溶于含有100 $\mu$ g/ml RNAase的50 $\mu$ l无菌水中,-20℃保存备用。

2. ssDNA模板: 重组质粒经合适的限制内切酶作用,1.0%琼脂糖凝胶电泳,电洗脱分离酶切片段,与M13mp18或M13mp19连接,转染DH5 $\alpha$ F',挑单个重组噬菌斑于1.5ml含JM101的2×TY(1.6% tryptone, 1.0% yeast extract, 0.5% NaCl)中,37℃培养5h,15,000

r/min 离心 5min, 在上清液中加入 200 μl 20% PEG6000, 2.5 mol/L NaCl, 室温置 5min, 离心收集沉淀, 溶于 100 μl TE 缓冲液(10 mmol/L Tris-HCl pH 8.0, 1 mmol/L EDTA) 中, 用 50 μl 苯酚及 150 μl 氯仿分别抽提一次, 乙醇沉淀, 空气干燥并溶于 30 μl TE 中, -20℃ 保存备用。

### (三) DNA 序列反应

1. 引物与 ssDNA 模板的退火: 反应体积 10 μl: 1.0—2.0 μg ssDNA, 0.04 μmol/L 引物, 15 mmol/L Tris-HCl pH 7.5, 15 mmol/L MgCl<sub>2</sub>, 15 mmol/L DTT, 60℃ 10 min, 冷至室温。

2. 引物与 dsDNA 模板的退火: 质粒 ds-DNA 在与引物退火之前, 先用 NaOH 变性, 变性反应体积 10 μl: 1.0—2.0 μg dsDNA, 0.4 mol/L NaOH, 室温 10min, 加 2 μl 3 mol/L NaAc (pH 5.2) 中和, 乙醇沉淀得变性的 ds-DNA, 退火反应同上。

3. 序列反应: 分别加 3 μl T-mix, C-mix, G-mix, A-mix 于相应的标记有 T、C、G、A Eppendorf 离心管中, 再各个加入 3 μl FLPT 混合液 (10 μl 引物与 DNA 模板的退火反应液中补加 10 μCi [ $\alpha$ -<sup>32</sup>P]-dATP, 5 U Klenow 大片段酶), 室温下反应 15min, 加 1 μl chase 液, 又 15min, 加 3 μl 终止反应液, 100℃ 变性 3min, 加样 1—2 μl, 1500—1700V, 60W, 1 × TBE 缓冲液系统电泳 2.5h 或更长时间。

### (四) 序列胶的配制

1. 线性聚丙烯酰胺凝胶(线性胶): 胶浓度 8%, 胶体积 70ml: 7ml 10 × TBE, 14 ml 胶母液, 8 mol/L 尿素, 加水至 70ml, 抽气后加入适量的 25% 过硫酸铵和 TEMED, 灌注 40 × 40 × 0.04cm 胶板, 1h 后胶凝。

2. 缓冲液梯度聚丙烯酰胺凝胶(梯度胶): 胶浓度 6%, 胶体积 70ml: 取 50ml 0.5 × 缓冲液梯度胶母液和 20 ml 2.5 × 缓冲液梯度胶母液, 抽气后, 分别加入适量 25% 过硫酸铵和 TEMED, 形成梯度后灌胶, 1h 后胶凝。

## 结果与讨论

### (一) DNA 模板的种类和质量

ssDNA 和 dsDNA 都可以作为序列测定的模板<sup>[4]</sup>, 但在同样的序列反应和凝胶电泳条件下, 所得到的序列信息量不同, 同一 DNA 片段的单链模板明显优于双链模板。 ssDNA 模

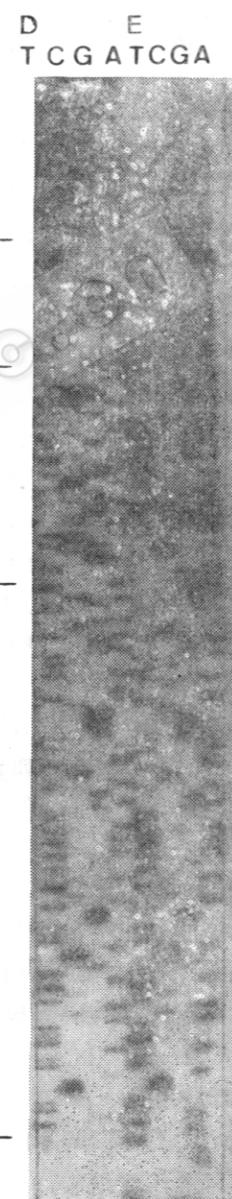


图 1 ss 和 dsDNA 模板序列电泳图谱 T.C.G.A:  
每个样品的加样顺序; D:ssDNA 模板; E: dsDNA  
模板; 两相邻的“—”: 100α;

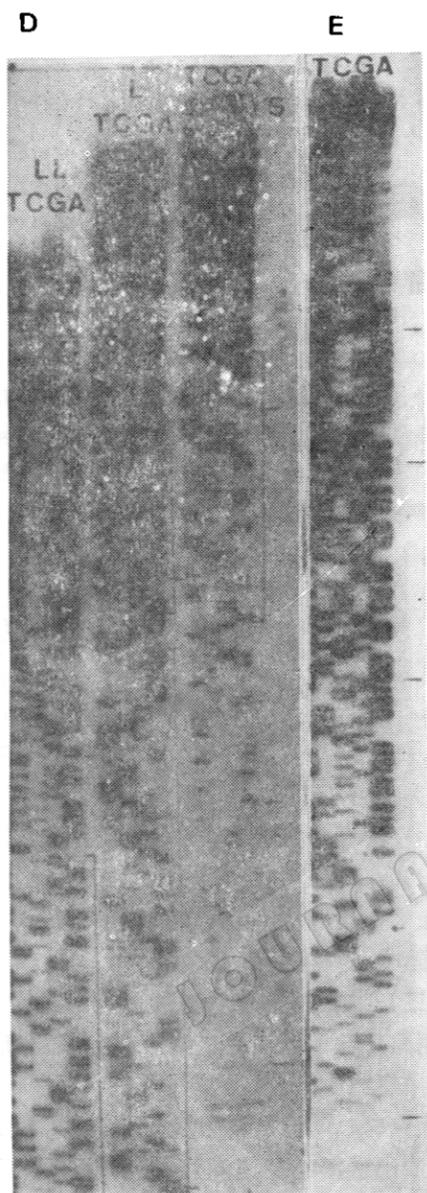


图 2 线性和梯度胶电泳序列图谱 T,C,G,A: 每个样品的加样顺序; D:线性胶; E:梯度胶; S,L,LL: 分别表示电泳 2.5h, 5.0h, 7.5h; “]”: 重叠序列; 两相邻的“—”: 100nt

板一次加样可读序列在 40 cm 长梯度胶中可达 350nt(图 1D), 而 dsDNA 模板仅大约为 150nt(图 1E)。dsDNA 作为测序模板的主要问题在于小量制备的质粒 DNA 中常混有寡聚核苷酸片段, 后者可以作为 DNA 合成的随机引物, 影响正常的序列反应。另一方面, 许多质粒制备中含有影响 DNA 聚合酶活性的物质, 导致

DNA 延伸的非特异性终止。ssDNA 模板的质量同样影响序列测定, 制备 ssDNA 模板时, 要尽量除去 PEG6000 和苯酚, 在进行序列反应之前, 最好用 1.0% 琼脂糖凝胶电泳检查 ssDNA 的质量。

dsDNA 的制备比较简便, 一般用于短序列的测定和已知序列的检测, ssDNA 常用于基因组全长序列的测定。

## (二) 线性和缓冲液梯度聚丙烯酰胺凝胶

用于序列测定的聚丙烯酰胺凝胶一般胶长 40cm, 60—100cm 长的胶亦有使用; 胶宽 20cm 或 40cm; 标准的胶厚度 0.04cm, 薄胶 (0.02mm) 可提高分辨率, 但胶易碎, 厚胶 (0.06cm) 可加大上样量。但胶不易固定和干燥, 胶的厚度均一<sup>[4]</sup>。亦有报道用 Wedge 胶测定 DNA 序列<sup>[5]</sup>。本文使用 40×40×0.04 cm 线性和梯度胶, 两者相比, 线性胶制备过程简单, 但一次加样可读序列较短, 大约为 150nt(图 2D, S)。因为 DNA 片段在线性胶中的泳动速度与其长度成对数关系, 一个碱基差别的两个片段的电泳行为如果片段长度短, 则它们相距的距离长; 反之则短。梯度胶亦称离子强度梯度胶, 在胶的底部离子强度高, 而上部低, 使得一个碱基差别的两个 DNA 片段不论其长短, 它们的距离基本一致, 提高了胶的纵向使用率, 可读的序列大大增长<sup>[6]</sup>。在我们的实验中, 利用 40cm 长梯度胶可测 300—350nt(图 2E)。一个样品, 先后两次或三次加样, 在线性胶中亦可得到 250—300 nt 或更长的序列(图 2D, L, LL)。但对整块胶来说, 可测的样品数目较梯度胶大为减少, 而不能得到较多的序列。

采用本文所介绍的 ssDNA 模板和梯度胶, 在较短的时间内测定了多于 20kb 的 DNA 序列, 完成了木薯花叶病毒基因组 DNA 1 和 DNA2 的全长序列。

## 参 考 文 献

1. Sanger F et al.: *J Mol Biol.*, 94: 441, 1975.
2. Maxam A M et al.: *Proc Natl Acad Sci USA*, 74: 560, 1977.
3. Sanger F et al.: *Proc Natl Acad Sci USA*, 74: 5463,

1977.  
4. Sambrook J et al.: eds, **Molecular Cloning**, CSH,  
New York, 13, 1989.

5. Reed A P et al.: *BioTechniques*, 4: 306, 1986.  
6. Hong G F: *Methods Enzymol*, 155: 93, 1987.