

C 型产气荚膜梭菌 α 毒素基因的克隆与表达*

许崇波^{1**} 许崇利² 刘哲¹ 陈永燕¹ 王仁军¹

(大连大学生物工程学院 大连 116622)¹ (宁夏大学生命科学学院 银川 750021)²

摘要: 利用 PCR 技术, 从 C 型产气荚膜梭菌染色体基因组中扩增了 1.2 kb 的 α 毒素基因, 将纯化的 PCR 产物与载体 pGEM-T 连接, 转化至受体菌 JM109 中, 经 *NcoI/EcoRI* 和 *BamHI/EcoRI* 酶切鉴定及核苷酸序列测定证实, 重组质粒 pXCPA1 中含有 α 毒素全基因。随后用 *NcoI/EcoRI* 酶切质粒 pXCPA1, 回收 α 毒素基因片段, 插入到事先经同样酶切处理的载体 pET-28c 中相应酶切位点, 构建了表达质粒 pETXA1, 经 *NcoI/EcoRI* 和 *BamHI/EcoRI* 酶切鉴定及核苷酸序列测定证实, 表达质粒含有 α 毒素基因且基因序列和阅读框架正确。重组菌株 BL21 (DE3) (pETXA1) 表达产物经 ELISA 检测和 SDS-PAGE 分析, 重组菌株表达的 α 毒素蛋白能够被 α 毒素单抗识别, 其表达量占菌体总蛋白相对含量的 16.28%。

关键词: C 型产气荚膜梭菌, α 毒素基因, 基因克隆, 基因表达

中图分类号: Q78 **文献标识码:** A **文章编号:** 0253-2654 (2005) 01-0062-05

Cloning and Expression of Alpha-Toxin Gene from *Clostridium perfringens* Type C

XU Chong-Bo^{1**} XU Chong-Li² LIU Zhe¹ CHEN Yong-Yan¹ WANG Ren-Jun¹

(College of Bioengineering, Dalian University, Dalian 116622)¹

(Life Science School, Ningxia university, Yinchuan 750021)²

Abstract: Alpha-toxin gene was amplified from chromosomal DNA of *Clostridium perfringens* type C by polymerase chain reaction (PCR). PCR product was inserted into vector pGEM-T directly. The cloned recombinant plasmid pXCPA1 possesses positive nucleotide sequence of alpha-toxin. A 1.2 kb alpha-toxin gene fragment was cleaved with restriction endonucleases *NcoI/EcoRI* from plasmid pXCPA1, and then inserted into an expression vector pET-28c which cleaved with *NcoI/EcoRI* by blunt-end ligation. The recombinant expression plasmid pETXA1 was studied in detail by restriction endonucleases analysis and nucleotide sequencing. The results showed that the recombinant expression pETXA1 possessed a positive alpha-toxin gene sequence and reading frame. BL21 (DE3) (pETXA1) could produce alpha-toxin and the expressed products were recognized by alpha-toxin monoclonal antibodies, and the expression level of the alpha-toxin proteins were about 16.28% of total cellular protein by SDS-PAGE and thin-layer gel scanning analysis.

Key words: *Clostridium perfringens* type C, Alpha-toxin gene, Gene cloning, Gene expression

C 型产气荚膜梭菌 (*Clostridium perfringens*, 又称魏氏梭菌) 是引起仔猪红痢的主要病原菌, 其毒力因子是菌体产生的外毒素 α 和 β 毒素。α 毒素是由 370 个氨基酸组成的单链多肽, 分子量约 43 kD, 它是一种依赖于锌离子的多功能性金属酶, 具有磷脂酶 C (PLC) 和鞘磷脂酶 2 种酶活性, 能同时水解组成细胞膜的主要成分—磷脂酰胆碱

* 国家自然科学基金资助项目 (No. 30360080)

Project Granted by Chinese National Natural Science Fund (No. 30360080)

** 联系人 Tel: 0411-87402327, E-mail: xcb921@sohu.com

收稿日期: 2004-04-06, 修回日期: 2004-06-10

和鞘磷脂,破坏细胞膜的完整性,导致细胞裂解,从而具有细胞毒性、溶血性、致死性和皮肤坏死性等特性^[1]。我们克隆和表达了C型产气荚膜梭菌 α 毒素全基因,并明确了其核苷酸序列和连接向位,为下一步研制 α 毒素基因工程亚单位疫苗提供了理想的基因材料。

1 材料与方法

1.1 菌株与载体

受体菌JM109,载体pET-28c由本室保存;载体pGEM-T购自Promega公司;C型产气荚膜梭菌强毒菌C59-44购自中国兽药监察所。

1.2 试剂与仪器

限制性核酸内切酶(*Bam*HI、*Eco*RI、*Nco*I)、PCR试剂盒、RNaseA、T4 DNA连接酶、氨苄青霉素购自Sigma公司;Wizard PCR preps DNA Purification System、X-gal、IPTG和低熔点琼脂糖购自Promega公司;PCR仪购自德国EPPENDORF公司。

1.3 α 毒素基因的扩增

根据Titball等^[2]报道的 α 毒素基因序列设计并合成了1对PCR引物,Primer 1: 5'-CATGCCATGGCAATGAAAAGAAAGATTTGT-3'和Primer 2: 5'-CCGGAATTCCTTTTATAT-TATAAGTTGAATT-3'。该引物包括了 α 毒素全基因,在2条引物上分别设计了限制性内切酶位点(*Nco*I和*Eco*RI),便于鉴定。在50 μ L的反应体系中,加引物1、2各0.2 μ mol/L, dNTPs各200 μ mol/L, MgCl₂ 1.5 mmol/L, Taq酶3 U和10 ng模板DNA,按“94 $^{\circ}$ C 1 min \rightarrow 47 $^{\circ}$ C 1 min \rightarrow 72 $^{\circ}$ C 2 min”的温度转换模式,共进行30个循环,扩增产物在1.0%琼脂糖凝胶上进行检测。

1.4 染色体DNA的提取

染色体DNA的提取按文献[3]介绍的方法进行。

1.5 DNA的重组和转化

质粒DNA的提取、酶切、琼脂糖凝胶电泳、DNA体外连接、转化等均按文献[4]方法进行。

1.6 质粒的稳定性试验

参照Meacock的方法进行^[5]。将37 $^{\circ}$ C振荡培养过夜的菌体,按10%接种于100 mL含Kan 30 μ g/mL的LB液体培养基中,继续培养12 h。将上述培养物稀释10⁶倍,在无Kan的LB液体培养基培养12 h。取100 μ L稀释液涂种于普通LB琼脂平板,过夜培养后,随机挑取100个单菌落,转种在含Kan的LB琼脂平板上,37 $^{\circ}$ C过夜培养并进行菌落计数。

1.7 表达产物SDS-PAGE分析和ELISA检测

按文献[6]方法进行。

2 结果与分析

2.1 α 毒素基因克隆质粒的构建

经过30个循环后,扩增出了1.2 kb α 毒素基因片段,利用Wizard PCR preps DNA Purification System回收 α 毒素基因片段,然后将其与pGEM-T载体经T4 DNA连接酶连接,转化至受体菌JM109中,涂种于含IPTG/X-gal/Amp的LB琼脂平板上,过夜培养。

挑取其中3个IPTG/X-gal/Amp阳性的重组菌落,经37℃过夜培养后,采用碱变性法快速抽提质粒,然后进行1%琼脂糖凝胶电泳,结果重组质粒的迁移率比载体pGEM-T慢,表明已有外源DNA插入。把其中一个重组质粒命名为pXCPA1,用*NcoI/EcoRI*和*BamHI/EcoRI*双酶切该质粒,经1.5%琼脂糖凝胶电泳,结果表明,构建的重组质粒pXCPA1含有 α 毒素全基因(见图1),经DNA序列测定证实,与Titball等报道的 α 毒素基因序列一致^[2],从而成功地构建了 α 毒素基因克隆质粒pXCPA1。

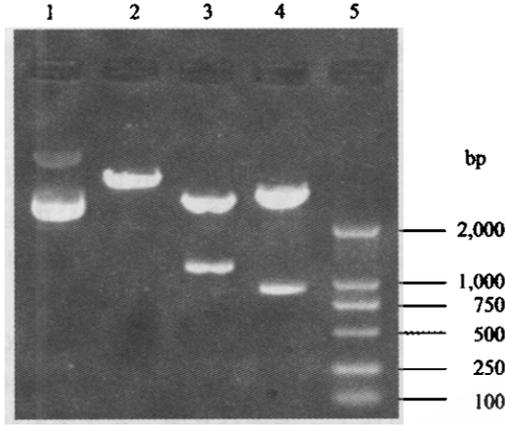


图1 重组质粒pXCPA1酶切电泳结果

1 pXCPA1 plasmid, 2 pXCPA1/*EcoRI*, 3 pXCPA1 + *NcoI/EcoRI*, 4 pXCPA1 + *BamHI/EcoRI*, 5 DL2000 DNA markers

2.2 α 毒素基因表达质粒的构建

用*NcoI/EcoRI*酶切克隆质粒pXCPA1,回收 α 毒素基因片段,插入到事先用同样酶切处理过的载体pET-28c,然后转化至受体BL21(DE3)中,涂种在卡那霉素琼脂平板上。经过夜培养后,从卡那霉素琼脂平板上挑取其中3个阳性的重组菌落,经37℃过夜培养后,采用碱变性法快速抽提质粒,然后进行1.0%琼脂糖凝胶电泳,结果重组质粒的迁移率比载体质粒慢,表明已有外源DNA插入。把其中一个重组质粒命名为pETXA1,用*NcoI/EcoRI*、*BamHI/EcoRI*、*NcoI/BamHI/EcoRI*酶切该质粒,经1.5%

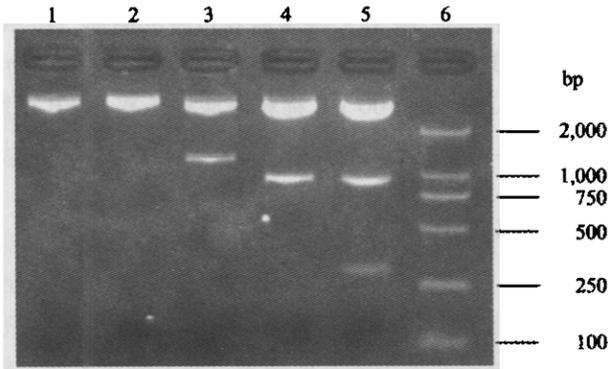


图2 重组质粒pETXA1酶切鉴定

1 pET-28c + *EcoRI*, 2 pETXA1 + *EcoRI*, 3 pETXA1 + *NcoI/EcoRI*, 4 pETXA1 + *BamHI/EcoRI*, 5 pETXA1 + *NcoI/BamHI/EcoRI*, 6 DL2000 DNA markers

琼脂糖凝胶电泳, 结果表明, 构建的重组表达质粒 pETXA1 含有 α 毒素基因 (图 2)。经 DNA 序列测定证实, 与 Titball 等报道的 α 毒素基因序列一致^[2], 从而成功地构建了 α 毒素基因表达质粒 pETXA1, 其结构如图 3 所示。

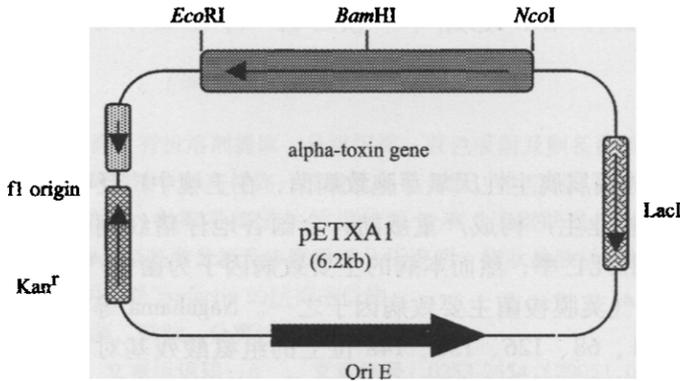


图 3 重组表达质粒 pETXA1 结构示意图

2.3 重组质粒的稳定性

重组质粒 pETXA1 在受体菌 BL21 (DE3) 中能稳定传代, 在无选择压力下, 经 20 细胞世代后, 含质粒率为 100%, 说明具有良好的稳定性。

2.4 α 毒素基因表达产物 SDS-PAGE 分析

将用于表达 T7 启动子的 BL21 (DE3) 菌株作为 α 毒素基因的表达宿主菌, 经转化挑取单个菌落培养, 菌体经处理后, 用 SDS-PAGE 分析, 结果表明, α 毒素基因可在这种宿主菌中得以表达。经 IPTG 诱导后的重组菌株 BL21 (DE3) (pETXA1) 于 0、1、2、3、4、5 h 取样, 然后进行 SDS-PAGE 分析 α 毒素基因的表达情况。结果表明, IPTG 诱导 1 h 后, α 毒素基因表达量明显增加, 至 3~4 h 后, 表达量不再增加, 所以 IPTG 诱导 3~4 h, 表达量可达最高 (见图 4)。经薄层电泳扫描分析, IPTG 诱导后的重组菌株中, BL21 (DE3) (pETXA1) 中的 α 毒素表达量占菌体总蛋白相对含量的 16.28%。

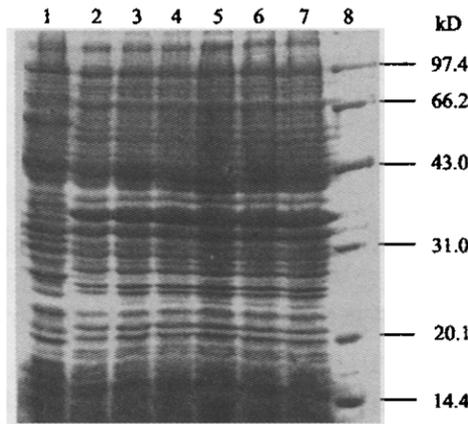


图 4 α 毒素基因表达产物 SDS-PAGE 结果
 1 BL21 (DE3) (pET-28c), 2~7 IPTG 诱导 BL21 (DE3) (pETXA1) 0、1、2、3、4、5 h 的产物, 8 低分子量蛋白 Marker

2.5 ELISA 检测 α 毒素蛋白

为了观察重组菌 BL21 (DE3) (pETXA1) 表达蛋白情况, 将 BL21 (DE3) (pETXA1) 菌体用超声波裂解, 裂解物及阴性对照和阳性对照 (α 毒素强毒菌 C59-44), 采用 ELISA 检测, 结果表明, BL21 (DE3) (pETXA1) 所表达的蛋白能被 α 毒素单抗识别。

3 讨论

C 型产气荚膜梭菌属腐生性厌氧芽胞致病菌, 在土壤中广泛存在, 享有广泛的疫源地, 因而对我国畜牧业生产构成严重威胁, 全国各地仔猪红痢的发病率呈上升趋势, 具有很高的发病率和死亡率, 然而本病的主要致病因子为菌体产生的 α 和 β 毒素, 其中 α 毒素是 C 型产气荚膜梭菌主要致病因子之一。Nagahama 等^[7] 和 Guillouard 等^[8] 报道了 α 毒素中第 11、68、126、136、148 位上的组氨酸残基对其具有活性至关重要, 68 位或 148 位组氨酸残基被其它氨基酸残基取代 (如甘氨酸或丝氨酸), 即可丧失其全部的溶血性和致死性。Williamson 等^[9] 报道了从 247 位至 370 位的 α 毒素就具有良好的免疫原性, 但却具有良好的免疫原性。我们克隆表达了 α 毒素全基因, 其表达水平占菌体总蛋白相对含量的 16.28%, 为进一步研制 α 毒素基因工程亚单位苗提供了理想基因材料。

参 考 文 献

- [1] Rood J I, Cole S T. *Microbiol Rev*, 1991, 55 (4): 621-648.
- [2] Titball R W, Hunter S E C, Martin K L, et al. *Infect Immun*, 1989, 57 (2): 367-376.
- [3] Henricus L. Klaasen B M, Molkenboer J C H, et al. *FEMS Immunology and Medical Microbiology*, 1999, 24: 325-332.
- [4] Sambrook J, Fritsch E F, Maniatis T. *Molecular Cloning*, 2nd Ed. New York: Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1989.
- [5] Meacock P A, Cohen S N. *Cell*, 1980, 20 (2): 529-542.
- [6] 赵宝华, 许崇波. *微生物学通报*, 2002, 29 (2): 8-13.
- [7] Nagahama M, Okagawa Y, Nakayama T, et al. *J Bacteriol*, 1995, 177 (5): 1179-1185.
- [8] Guillouard I, Garnier T, Cole S T. *Infect Immun*, 1996, 64 (7): 2440-2444.
- [9] Williamson E D, Titball R W. *Vaccine*, 1993, 11 (12): 1253-1258.