

利迪链霉菌 K2 对灰霉病菌的抑菌效果及抑菌物质鉴定

鲁妍璇^{1,3}, 曹毅², 李博雅^{1,3}, 吕朝阳³, 谢家贝³, 张克诚³, 葛蓓孛^{3*},
冉隆贤^{1*}

1 河北农业大学林学院 河北省林木种质资源与森林保护重点实验室, 河北 保定 071000

2 贵州省烟草科学研究院, 贵州 贵阳 550081

3 中国农业科学院植物保护研究所 植物病虫害综合治理全国重点实验室, 北京 100193

鲁妍璇, 曹毅, 李博雅, 吕朝阳, 谢家贝, 张克诚, 葛蓓孛, 冉隆贤. 利迪链霉菌 K2 对灰霉病菌的抑菌效果及抑菌物质鉴定[J]. 微生物学报, 2023, 63(5): 1991-2006.

LU Yanxuan, CAO Yi, LI Boya, LÜ Zhaoyang, XIE Jiabei, ZHANG Kecheng, GE Beibei, RAN Longxian. Inhibition of *Streptomyces lydicus* K2 on *Botrytis cinerea* and identification of its inhibitory substances[J]. Acta Microbiologica Sinica, 2023, 63(5): 1991-2006.

摘要: 灰霉病是多种经济作物生产过程以及果蔬储藏运输中常见的病害, 链霉菌能产生丰富的次级代谢产物, 对灰霉病菌具有较好的抑制效果。【目的】筛选出更高效、功能更多的链霉菌, 为针对灰霉病的生防菌剂的研发提供优良菌种。【方法】采用管碟法对菌株 K2 进行液体培养基的筛选及培养液活性的测定; 双皿对峙等 2 种方法进行产挥发性物质对灰霉病菌的抑菌活性测定; 通过 16S rRNA 基因序列分析进行菌株 K2 鉴定; 高效液相色谱及液相色谱-质谱 2 种方法对培养液活性成分进行定性验证; 顶空固相微萃取-气质联用对菌株 K2 产生的挥发性物质成分进行检测及鉴定。【结果】菌株 K2 在液体培养基 A 中产生的次级代谢物对苹果腐烂病菌、苹果轮纹病菌、核盘菌、杨树溃疡病菌和烟草赤星病菌等多种植物病原真菌均具有较强的抑制作用; K2 产生的挥发性物质对灰霉病菌的抑制率达 100%, 且抑制效果与挥发性物质的量有关; 菌株 K2 与利迪链霉菌(*Streptomyces lydicus*)亲缘关系非常接近, 相似性为 99%; 培养液活性成分中含有谷氏菌素、丰加霉素和纳他霉素; 在挥发性物质成分中发现了烯类、醇类、酯类及烷烃类等 30 种挥发性物质,

资助项目: 中国烟草总公司重大科技项目[110202201019(LS-03)]; 国家重点研发计划(2018YFD0201307); 广西科技重大专项(桂科 AA18242026)

This work was supported by the Major Science and Technology Program of China Tobacco Corporation (110202201019(LS-03)), the National Key Research and Development Program of China (2018YFD0201307), and the Guangxi Science and Technology Major Project (Laurel Science AA18242026).

*Corresponding authors. E-mail: RAN Longxian, longxianran@163.com; GE Beibei, gebeibei@caas.cn

Received: 2023-02-28; Accepted: 2023-04-28

其中含量较多的物质分别是 2-methylisoborneol、1-undecene、p-menth-8-ene 和 3-methylene，同时检测到已报道的 2 种抑菌物质 benzothiazole 和 β -pinene。【结论】经鉴定 K2 菌株为利迪链霉菌，培养液具有广谱抑菌活性，其产生的挥发性物质对灰霉病菌也有较好的抑制效果，可作为优质生防菌种用于开发防治果蔬生产中灰霉病的生物农药。

关键词：抑菌活性；生物防治；灰霉病菌；利迪链霉菌；挥发性物质

Inhibition of *Streptomyces lydicus* K2 on *Botrytis cinerea* and identification of its inhibitory substances

LU Yanxuan^{1,3}, CAO Yi², LI Boya^{1,3}, LÜ Zhaoyang³, XIE Jiabei³, ZHANG Kecheng³, GE Beibei^{3*}, RAN Longxian^{1*}

1 Key Laboratory of Forest Germplasm Resources and Forest Protection of Hebei Province, College of Forestry, Hebei Agricultural University, Baoding 071000, Hebei, China

2 Guizhou Academy of Tobacco Science, Guiyang 550081, Guizhou, China

3 State Key Laboratory for Biology of Plant Diseases and Insect Pests, Institute of Plant Protection, Chinese Academy of Agricultural Sciences, Beijing 100193, China

Abstract: Gray mold is a common disease in the production process of a variety of cash crops, and in the storage and transportation of fruits and vegetables. *Streptomyces* spp. can produce many secondary metabolites with strong inhibition effects on *Botrytis cinerea*. [Objective] The present study focused on screening *Streptomyces* sp. with more efficient functions and provides excellent strains for the research and development of biocontrol agents for gray mold. [Methods] Tube dish method was applied for the selecting culture media and for determining bioactivities of culture broth of strain K2. The antifungal activity of volatile substances against *B. cinerea* was determined by double dish confrontation. 16S rRNA gene sequence analysis was used for identification of strain K2. High performance liquid chromatography and liquid chromatography-mass spectrometry methods were applied for qualitatively verification of the active components in the culture broth. Volatile components were determined using headspace solid phase micro-extraction gas chromatography-mass spectrometry. [Results] The secondary metabolites produced by strain K2 in culture medium A had strong inhibitory effects on a variety of plant pathogenic fungi such as *Valsa mali*, *Physalospora piricola*, *Sclerotinia sclerotiorum*, *Botryosphaeria dothidea* and *Alternaria alternata*. The inhibition rate of volatile substances produced by K2 on *B. cinerea* reached 100%, and the inhibition effect was correlated with the amount of volatile substances in the culture broth. K2 was identified as *Streptomyces lydicus* through the 16S rRNA gene sequence (maximum identity of 99%), glutamicin, fengamycin and natamycin were detected in the culture broth with high performance liquid chromatography. A total of 30 volatile substances including olefins, alcohols, esters and alkenes were detected using headspace solid phase micro-extraction gas chromatography and mass spectroscopy, in which 2-methylisoborneol, 1-undecene, p-menth-8-ene and 3-methylene were the major biochemicals.

Two substances with fungicidal activity, benzothiazole and β -pinene, were detected as well.

[Conclusion] The strain K2 was identified as *Streptomyces lydicus* and its culture broth had a broad spectrum of bioactivities against different plant pathogens, and its volatile substances also had good inhibitory effects on *B. cinerea*. As a result, K2 can be used as a high-quality biocontrol agent to develop bio-fungicides for controlling gray mold on some fruit and vegetable crops.

Keywords: antifungal activity; biological control; *Botrytis cinerea*; *Streptomyces lydicus*; volatile substances

灰霉病是由灰葡萄孢(*Botrytis cinerea*)引起的可危害蔬菜、果树及花卉等多种植物的重要病害,在果蔬生产中的危害尤为严重^[1],并在果实贮藏运输中加快消耗贮藏物的营养物质,致使贮藏物的储存期变短、品质下降而引起严重的经济损失^[2]。现阶段,对果蔬生产中及采后储藏期灰霉病主要使用化学杀菌剂进行防治,其虽具有高效的特点,但由于灰霉病菌寄主范围广、繁殖快、遗传变异大,易产生抗药性^[3],并且化学药剂的残留对环境造成了不可逆的污染,危及人畜健康。

生物防治因其具有持效期长和环境友好等优点而受到广泛的关注,筛选出高效多功能的生防微生物是目前的研究热点之一^[4]。在植物病害生防菌中,链霉菌在代谢过程中能产生多种抗生素等次生代谢物,这些代谢物具有高效、低毒的特点。如武夷菌素是由不吸水链霉菌武夷变种CK-15产生的一种广谱、高效、低毒的农用抗生素,生产上对草莓灰霉病、番茄灰霉病具有较好的田间防治效果^[5]。研究还发现微生物能利用大分子物质如蛋白质、脂肪和碳水化合物等生成葡萄糖、氨基酸和脂肪酸等小分子代谢产物,再进行初级代谢和次级代谢将这些物质转化能产生大量种类丰富、功能多样的挥发性物质(volatile organic compounds, VOCs)^[6]。微生物 VOCs 成分复杂、功能多样,据报道微生物 VOCs 具有极强的抑菌效果,能够协同作用,抑制甚至杀死果蔬采后病原菌,有些还能促进植物生长和作物增产,而且它们具有在空气、土壤空隙中高效率的

扩散能力,能快速扩大作用范围^[7]。在果实病害防治中,挥发性物质可以不与果实直接接触,也不会在果实表面留下残留物^[8],从而可以减少化肥和农药的使用,且有利于保障种植和采后贮藏环节的农产品质量安全。因此对链霉菌非挥发和挥发性代谢产物进行开发对植物病害防治以及采后果实保鲜等方面具有广泛的研究价值和应用前景。

为了减轻或避免灰霉病菌在作物生产及产品储藏期间的危害,本研究从土壤中筛选到一株对深红酵母具有强拮抗作用的链霉菌 K2。通过 16S rRNA 基因对该菌株进行初步鉴定,同时测定其培养液及其挥发性物质对灰霉病菌的抑菌效果,并对其培养液中的活性成分及产挥发性成分进行检测及鉴定,为链霉菌 K2 作为防治灰霉病新型生物农药的开发提供科学依据和理论支持。

1 材料与方法

1.1 供试材料

菌株 K2 从土壤样品中分离、纯化获得; 菌株 CK-15,用于活性比对; 供试病原真菌及细菌: 灰霉病菌、苹果腐烂病菌、苹果轮纹病菌、核盘菌、棉花枯萎病菌、烟草赤星病菌、杨树溃疡病菌、小麦纹枯病菌、辣椒疫病病菌、玉米大斑病菌、西瓜果斑病菌、辣椒疮痂病菌、青枯病菌、黄瓜角斑病菌、水稻白叶枯病菌和深红酵母均由中国农业科学院植物保护研究所农用抗生素组保存,用于抑菌活性检测。

PDA 培养基：去皮马铃薯 200 g，葡萄糖 20 g，琼脂粉 15 g，蒸馏水 1 000 mL，pH 7.2。

PDA 培养基用于病原真菌的培养；

MS 培养基：20 g 黄豆饼放入蒸馏水中煮 30 min，用 4 层纱布过滤定容至 1 000 mL，每 100 mL 分装入盛有 2 g 甘露醇和 1.7 g 琼脂粉的 250 mL 三角瓶中。MS 培养基用于菌株 CK-15 的培养；

LB 培养基：胰蛋白胨 10 g，酵母提取物 5 g，氯化钠 10 g，琼脂粉 15 g，蒸馏水 1 000 mL，pH 7.2。LB 培养基用于病原细菌的培养；

ISP2 培养基：酵母膏 10 g，琼脂粉 20 g，麦芽浸粉 10 g，葡萄糖 4 g，琼脂粉 20 g，蒸馏水 1 000 mL，pH 7.2–7.4。ISP2 培养基用于菌株 K2 的培养；

种子培养基：葡萄糖 20 g，蛋白胨 6 g，酵母粉 6 g，氯化钠 10 g，蒸馏水 1 000 mL；

液体培养基 A：黄豆粉 20 g，玉米粉 30 g，葡萄糖 20 g，硫酸铵 4 g，碳酸钙 3 g，蒸馏水 1 000 mL，pH 7.2–7.4。菌株 CK-15 的最适发酵培养基；

液体培养基 B：黄豆粉 15 g，可溶性淀粉 20 g，酵母粉 5 g，蛋白胨 2 g，氯化钠 4 g，碳酸钙 4 g，蒸馏水 1 000 mL，pH 7.2–7.4；

麦粒培养基：用清水浸泡小麦粒 24 h，再放到沸水中煮至小麦粒表皮裂开，过滤晾干后按每瓶 20 g 分装到 250 mL 三角瓶，加入质量比为 1:1 的蒸馏水。

上述各种培养基均于 121 °C 灭菌 20 min 后备用。

1.2 灭菌培养液的抗菌活性检测

培养液的制备：菌株 K2 划线接种在 ISP2 培养基平板上，菌株 CK-15 划线接种在 MS 培养基平板上，均放置于 28 °C 培养箱中培养 7 d，将培养好的菌株切成 1.0 cm² 大小后接入种子培

养基中，置于 28 °C、220 r/min 振荡培养 24 h，用紫外分光光度测定其 OD₆₀₀，以 1% 的接种量接种于液体培养基 A、液体培养基 B 中，菌株 CK-15 重复上述操作只接于液体培养基 A 中，液体培养基在 28 °C、220 r/min 条件下振荡培养 72 h，将培养液用滤纸过滤后再在无菌条件下用 0.22 μm 微孔滤膜过滤除菌，将无菌培养液于 4 °C 保存备用。

病原真菌拮抗能力测定：将培养好的病原真菌用打孔器打取直径为 5 mm 的菌块，培养皿中倒入 PDA 培养基，在培养皿中心放置打取好的病原真菌菌块，在距离中心 30 mm 角度 120 ° 设置三点分别放置 1 个牛津杯，牛津杯中分别接菌株培养液 A、培养液 B 和 CK-15 培养液 A，培养液的量为 200 μL，每种培养液重复 3 次。

病原细菌拮抗能力测定：将病原细菌挑取至 LB 液体培养基，于 28 °C、180 r/min 振荡培养 24 h，将摇瓶培养细菌稀释，分光光度计测定 OD₆₀₀ 为 0.1–0.2，取稀释后的细菌菌液 200 μL 均匀涂布至 LA 固体培养基上，距离培养皿中心 30 mm 角度 120 ° 设置 3 个点，在每点处分别接菌株培养液 A、培养液 B 和 CK-15 培养液 A，培养液液量为 10 μL。每种培养液重复 3 次。

深红酵母拮抗能力测定：深红酵母先用无菌水洗脱，待 PDA 培养基温度至 45 °C，吸取 1 mL 红酵母至 PDA 培养基摇匀。距离培养皿中心 30 mm 角度 120 ° 设置三点分别放置 1 个牛津杯，牛津杯中分别接菌株培养液 A、培养液 B 和 CK-15 培养液 A，培养液的量为 200 μL，每种培养液重复 3 次。

抑菌作用测定：上述各种处理后，在 28 °C 恒温箱中黑暗培养 5 d，取出测量抑菌带的大小，由此确定 3 类菌对灰霉菌的拮抗效果：抑菌带宽 <13.8 mm 时，抑菌作用弱；抑菌带宽 ≥13.8 mm 时，抑菌作用强。

1.3 K2 产挥发性物质对灰霉病菌的抑菌活性测定

链霉菌麦粒培养基的制备：菌株 K2 划线接种在 ISP2 培养基平板上，菌株 CK-15 划线接种在 MS 培养基平板上，均放置于 28 °C 培养箱中培养 7 d，将培养好的菌株切成 1.0 cm² 大小后接入种子培养基中，置于 28 °C、220 r/min 振荡培养 24 h，用紫外分光光度测定其 OD₆₀₀，以 20% 的接种量接于麦粒培养基上，混匀后放到温度为 28 °C 的培养箱中静置培养，每天摇瓶 2 次以使链霉菌在麦粒培养基上均匀生长，培养 10 d 至麦粒表面密布灰白色菌落即得到链霉菌麦粒培养基备用。

选用 2 种测定方法进行 K2 菌株产挥发性物质对灰霉病菌的抑制效果测定。采用双皿对峙法^[9]，将培养好的病原真菌用打孔器打取直径为 5 mm 的菌块，取 2 个大小为 90 mm 培养皿，一个倒入 PDA 培养基，冷却后将直径为 5 mm 灰霉病菌菌块放置于培养基中央。再取已制备好的链霉菌麦粒培养物，放入另一个皿底中，将有灰霉病菌菌块接种含麦粒培养基上，以添加等量未接种链霉菌种子液的麦粒培养基为对照，用封口膜封口。

参照李其利^[10]的方法，将培养好的病原真菌用打孔器打取直径为 5 mm 的菌块，在直径 180 mm 培养皿中放置 2 个 90 mm 培养皿，在培养基中央接灰霉病菌菌块，另一个 70 mm 培养皿中放置已制备好的链霉菌麦粒培养基，以添加等量未接种链霉菌种子液的麦粒培养基为对照，然后将大培养皿密封。

将以上处理后封口的培养皿置于 25 °C 恒温培养箱中培养，5 d 后采用十字交叉法测量处理组和对照组菌落直径。每个处理重复 3 次。测量得到菌落直径，根据公式(1)计算挥发性物质的抑菌率。

$$\text{抑菌率} = (\text{对照组菌落直径} - \text{处理组菌落直径}) / \text{对照组菌落直径} \times 100\% \quad (1)$$

1.4 菌株的鉴定

采用 16S rRNA 基因技术对菌株进行种属鉴定。菌株 DNA 的提取使用链霉菌全基因组 DNA 提取试剂盒。16S rRNA 基因通用引物 27F/1492R (AGAGTTTGATCMTGGCTCAG/GGTTACCTT GTTACGACTT) 由华大基因合成。PCR 扩增的反应体系(50 μL)含 2×Taq PCR Master Mix 预混合液 25 μL, 27F 2 μL, 1492R 2 μL, DNA 模板 1 μL 及 ddH₂O 20 μL；PCR 反应条件设置为：95 °C 预变性 5 min；95 °C 变性 30 s, 45 °C 退火 15 s, 72 °C 延伸 30 s，循环 35 次；最后 72 °C 延伸 10 min。PCR 扩增结束后，将 PCR 产物用 1% 琼脂糖凝胶进行电泳；将 PCR 扩增产物送北京擎科生物技术有限公司测序，测序结果提交至 NCBI 中进行序列比对，选择与 K2 同源性较高的菌株，应用 MEGA 7.0 软件进行多序列比对并建立系统发育树。

1.5 K2 培养液中活性成分定性分析

标准品溶液配制：准确称取各标准品 2 mg 溶于 2 mL 蒸馏水中，充分混匀后即得到 1 000 μg/mL 标准溶液，液相色谱-质谱检测中标准品需稀释至 1 μg/mL。取 1.5 mL 标准品溶液及无菌培养液分别经 0.22 μm 的无菌滤膜过滤后置于液相进样瓶中待检测；流动相均需在超声波清洗机中超声波处理 30 min。将标准品溶液和样品溶液在同一条件下进行检测，通过分析比较标准品与样品色谱图出峰保留时间进行定性分析。

高效液相色谱 (high performance liquid chromatography, HPLC) 检测条件(表 1)；液质色谱-质谱检测中液相色谱条件：柱温 35 °C，进样量 2 μL，流速 0.3 mL/min，流动相 A 为甲醇，B 为 0.1% 甲酸水溶液，梯度洗脱程序(表 2, 表 3)；质谱条件：扫描方式多反应监测(multi-reaction

monitoring, MRM, 表 4), 离子源温度 150 °C, 去溶剂雾化流量 800 L/h, 雾化锥体流量 150 L/h, 雾化器压力 7.0 bar, 去溶剂温度 350 °C, 毛细管喷涂电压 3 kV。

1.6 挥发性成分检测及鉴定

用顶空固相微萃取-气质联用的方法分析菌株 K2 的挥发性代谢产物。将在 250 mL 三角瓶中培养 10 d 的链霉菌麦粒培养基置于 45 °C 恒温水浴 30 min, 插入经老化处理的 DVB/CAR/PDMS 固相微萃取纤维头, 顶空吸附 30 min, 使挥发性物质富集于萃取头上, 然后直接进样到气相色谱-质谱(gas chromatograph-mass spectrometer, GC-MS)联用仪, 于 250 °C 下解析 5 min 后进行 GC-MS 分析, GC-MS 操作条件参照文献[11]。计算机自动将所得气体成分质谱与国际标准数据 库 (NIST017 Mass Spectrometry Library

Database)数据进行比对, 鉴定出挥发性物质的成分, 以测得的全部峰面积作为 100%, 用归一化法确定各组分的相对含量。以相同质量无菌麦粒培养基作为对照, 将对照与菌株 K2 麦粒培养基中同时存在的物质去除, 试验重复 3 次。

1.7 数据分析

用 MEGA7.0 软件和邻接法构建系统发育树; 用 Microsoft Office Excel 2019 和 SPSS 20 软件进行数据分析。

2 结果与分析

2.1 灭菌培养液的抗菌活性

液体培养基成分对链霉菌次级代谢产物的产量有着重要的影响, 为筛选更适合菌株 K2 的液体培养基, 选择 2 种不同的培养基并采用管碟法比对培养液的抑菌活性, 结果(表 5)表明, 菌

表 1 液相色谱条件

Table 1 Liquid chromatography conditions

Condition	Glutinectin	Fengamycin	Natamycin
Mobile phase	1.4 g/L trichloroacetic acid	Methanol	Methanol
Velocity (mL/min)	1.0	0.3	0.6
Temperature (°C)	40.0	35.0	30.0
Wavelength (nm)	254.0	279.0	304.0
Injection volume (μL)	20.0	20.0	20.0
Analyze time (min)	20.0	20.0	20.0

表 2 丰加霉素、纳他霉素流动相梯度洗脱程序

Table 2 Mobile phase gradient elution program of fengamycin and natamycin

Time (min)	Velocity (mL/min)	Mobile phase A (%)	Mobile phase B (%)
0.0	0.3	20.0	80.0
1.0	0.3	20.0	40.0
2.0	0.3	20.0	20.0
2.6	0.3	20.0	80.0
5.0	0.3	20.0	80.0

表 3 谷氏菌素流动相梯度洗脱程序

Table 3 Mobile phase gradient elution program of glutinectin

t/min	Velocity (mL/min)	Mobile phase A (%)	Mobile phase B (%)
0.0	0.3	90.0	10.0
2.0	0.3	90.0	10.0
6.0	0.3	10.0	90.0
8.0	0.3	10.0	90.0
8.5	0.3	90.0	10.0
10.0	0.3	90.0	10.0

表 4 MRM 参数

Table 4 MRM parameters

Substance	Ionic mode	Precursor ion (<i>m/z</i>)	Product ion (<i>m/z</i>)	Declustering potential (V)	Collision energy (V)
Glutinectin	ES ⁺	465.0	455.8	152.9	27.3
Fengamycin	ES ⁺	292.1	160.3	108.0	24.0
Natamycin	ES ⁺	666.4	503.5	114.0	13.0

表 5 K2 培养液对植物病原菌的抑制作用

Table 5 Inhibition of fermentation broth from strain K2 on plant pathogens

Pathogens	K2 antagonistic band (mm)		CK-15 antagonistic band on culture media A (mm)
	Culture media A	Culture media B	
<i>Alternaria alternata</i>	14.0±1.0a	12.7±0.6ab	10.3±0.6b
<i>Botryosphaeria dothidea</i>	14.3±0.6a	13.3±0.6a	14.3±1.2a
<i>Botrytis cinerea</i>	13.5±1.5a	12.5±0.7a	11.0±1.7a
<i>Exserohilum turcicum</i>	12.0±3.5a	11.0±1.0a	9.7±1.5b
<i>Fusarium oxysporum</i>	5.7±0.0a	5.0±0.6a	5.0±1.0a
<i>Physalospora piricola</i>	15.7±4.2a	15.0±1.0a	15.6±1.5a
<i>Phytophthora capsici</i>	12.5±0.7a	11.3±2.1a	5.3±1.7b
<i>Rhizoctonia cerealis</i>	8.3±2.1a	7.6±0.6a	4.0±1.2b
<i>Rhodotorula rubra</i>	24.7±3.5a	23.3±0.7a	23.1±1.1a
<i>Sclerotinia sclerotiorum</i>	15.3±2.3a	13.3±0.6a	13.3±1.0a
<i>Valsa mali</i>	20.7±1.2a	14.3±2.3b	21.0±1.0a
<i>Acidovorax citrulli</i>	0.0	0.0	0.0
<i>Pseudomonas syringae</i>	0.0	0.0	0.0
<i>Ralstonia solanacearum</i>	0.0	0.0	0.0
<i>Xanthomonas vesicatoria</i>	0.0	0.0	0.0
<i>Xanthomonas oryzae</i>	0.0	0.0	0.0

Data were the mean of 3 replicates with standard deviation. Different lowercase letters in the same row indicate significant differences ($P<0.05$), among different culture media tested with Duncan's multiple range test.

株 K2 在培养基 A 产生的次级代谢产物对病原真菌的抑菌活性均比培养基 B 好, 更有利于代谢产物的产生。进一步与菌株 CK-15 进行抑菌活性比较, 菌株 K2 对灰霉病菌的抑菌带略高于菌株 CK-15, 且菌株 K2 对苹果腐烂病菌、苹果轮纹病菌、核盘菌、杨树溃疡病菌、烟草赤星病菌的抑制作用强, 抑菌带直径分别为 20.7、15.7、15.3、14.3 和 14.0 mm, 可见菌株 K2 的抑菌谱较广。

2.2 K2 产挥发性物质对灰霉病菌的抑菌活性

25 °C恒温培养箱中培养 5 d 后, 对照组灰霉

病菌几乎长满平板(图 1)。双皿对峙中, 在菌株 K2 的挥发性物质作用下灰霉菌不生长, 抑菌率为 100% (表 6); 在菌株 CK-15 的挥发性物质作用下灰霉菌落直径为 11.0 mm, 抑菌率为 86.8%。用李其利^[10]的方法测定, 发现在相同挥发性物质的量下增大作用的面积后, 挥发性物质对灰霉病菌的抑制效果减弱, 菌株 K2 和 CK-15 处理后灰霉菌落直径分别为 65.8、81.1 mm, 抑菌率也降至仅 20.1%、1.5%。由此可见, 产生的挥发性物质对灰霉病菌生长的抑制效果与挥发性物质的量有关, 并且与菌株 CK-15 相比菌株 K2 产的挥发性物质对灰霉病菌抑制效果更好。

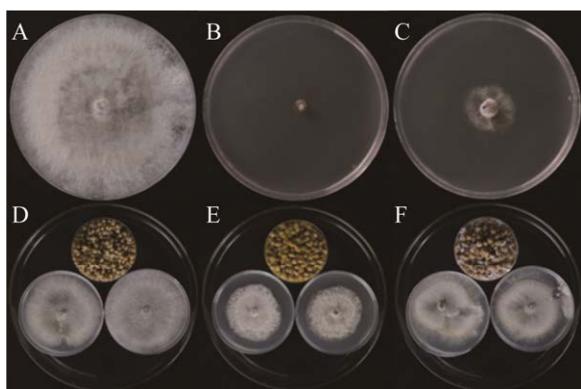


图 1 挥发性物质对灰霉病菌菌丝生长的影响

Figure 1 Effect of volatile substances on mycelia growth of *Botrytis cinerea*. A–C: The result of the double-dish confrontation test. D–F: The results of the Li Qili's method. A, D: Sterile water control; B, E: Volatile substances produced by K2 on grain medium; C, F: Volatile substances produced by CK-15 on grain medium.

表 6 挥发性物质对灰霉病菌菌丝生长抑制测定

Table 6 Determination of inhibition of volatile substances on hyphal growth of *Botrytis cinerea*

Strain	Double-dish confrontation method		Li Qili's method	
	Colony diameter (mm)	Growth inhibition of hyphae (%)	Colony diameter (mm)	Growth inhibition of hyphae (%)
CK	83.3±0.5a	0.0	82.3±0.5a	0.0
K2	0.0c	100	65.8±2.5b	20.1
CK-15	11.0±4.3b	86.8	81.1±3.4a	1.5

Different lowercase letters in the same column indicate significant differences ($P<0.05$).

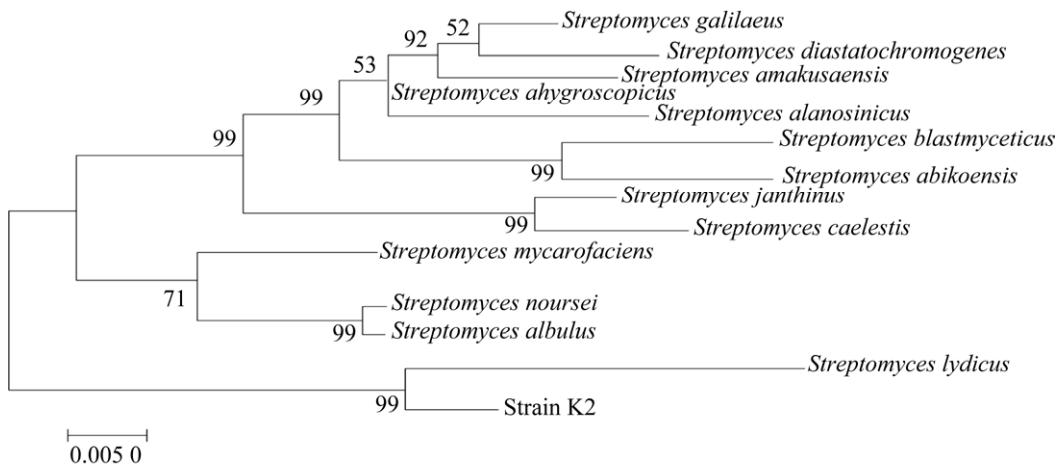


图 2 通过邻接法构建的基于 K2 菌株和相关链霉菌的 16S rRNA 基因序列的系统发育树

Figure 2 Phylogenetic tree constructed with the neighbor-joining method based on 16S rRNA gene sequences of strain K2 and the related *Streptomyces* species. The tree was constructed with MEGA 7.0 software. The number at each node indicates the bootstrap support and the bar indicates expected number of substitutions per site.

2.3 菌株的鉴定

通过 PCR 扩增获得了菌株 K2 的 16S rRNA 基因片段，其序列长度为 1 465 bp。将该序列提交至 NCBI 数据库进行 BLAST 分析比对，结果(图 2)显示菌株 K2 与 *Streptomyces lydicus* 的相似性达到 99%。在用 MEGA 7.0 构建的邻接系统发育树上，K2 菌株与 *Streptomyces lydicus* 处于同一末端分支上(bootstrap 支持率为 99%)，因此，将菌株 K2 鉴定为利迪链霉菌(*Streptomyces lydicus*)。

2.4 K2 的培养液中活性成分定性分析

用高效液相色谱对菌株培养液进行定性检测分析的结果(图 3)表明，在 HPLC 检测结果中谷氏菌素、丰加霉素和纳他霉素标准品出峰保留时间分别为 6.736、3.654、4.466 min，比对菌株

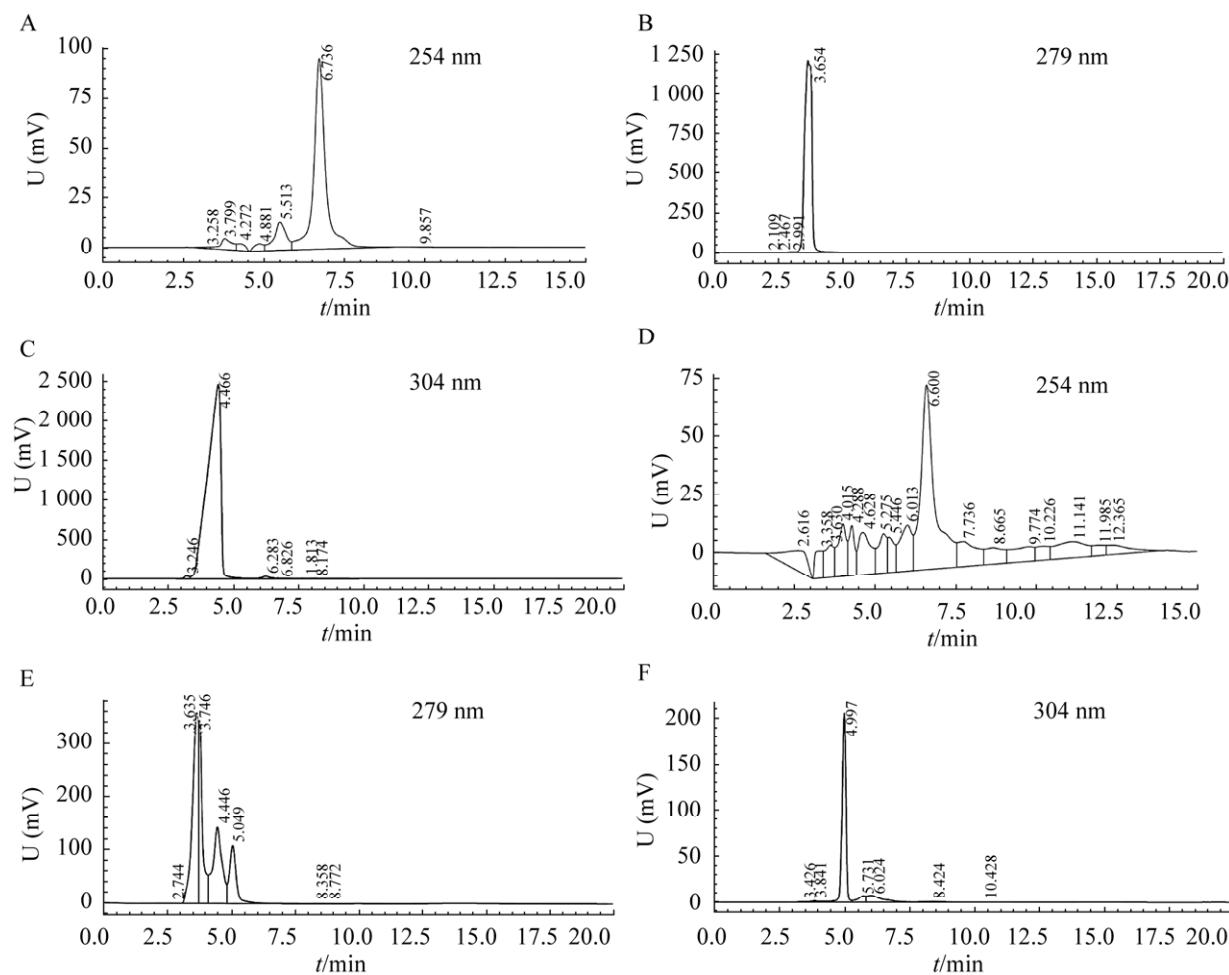


图 3 K2 菌株培养液 HPLC 分析

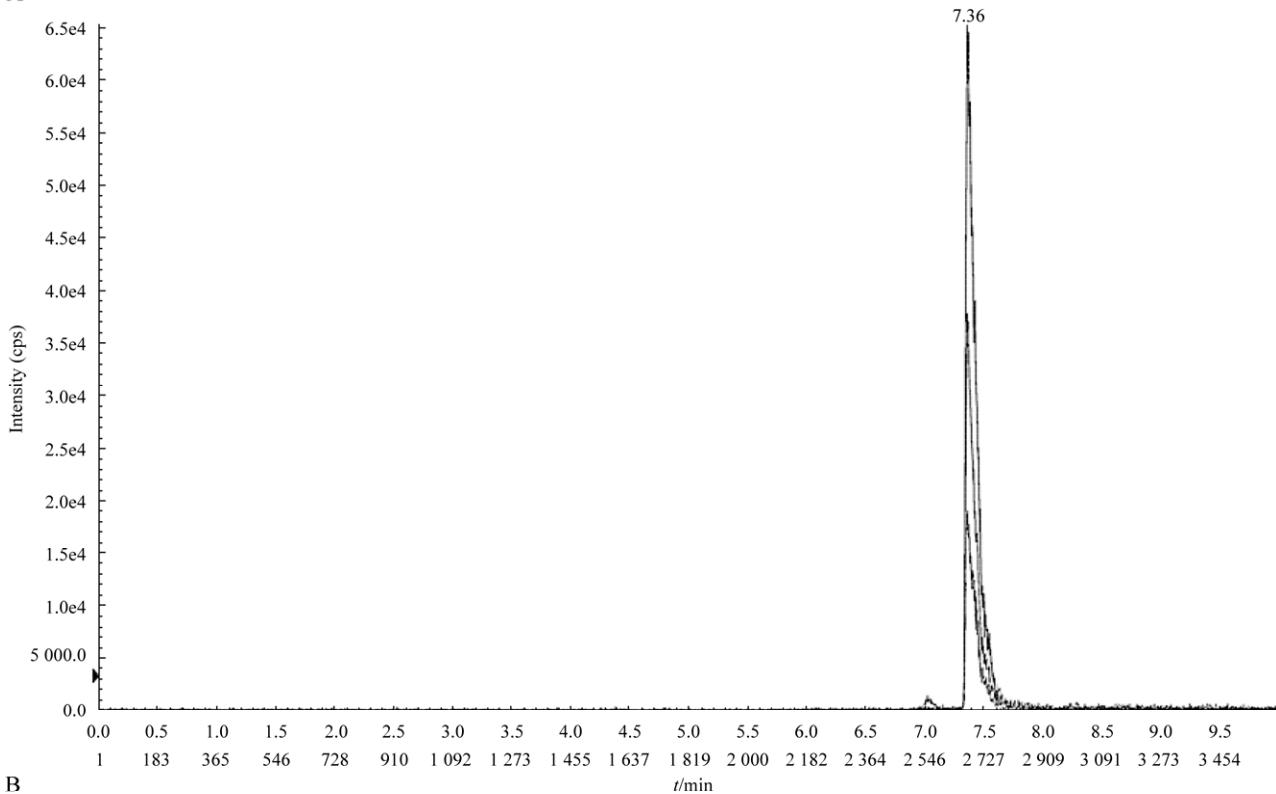
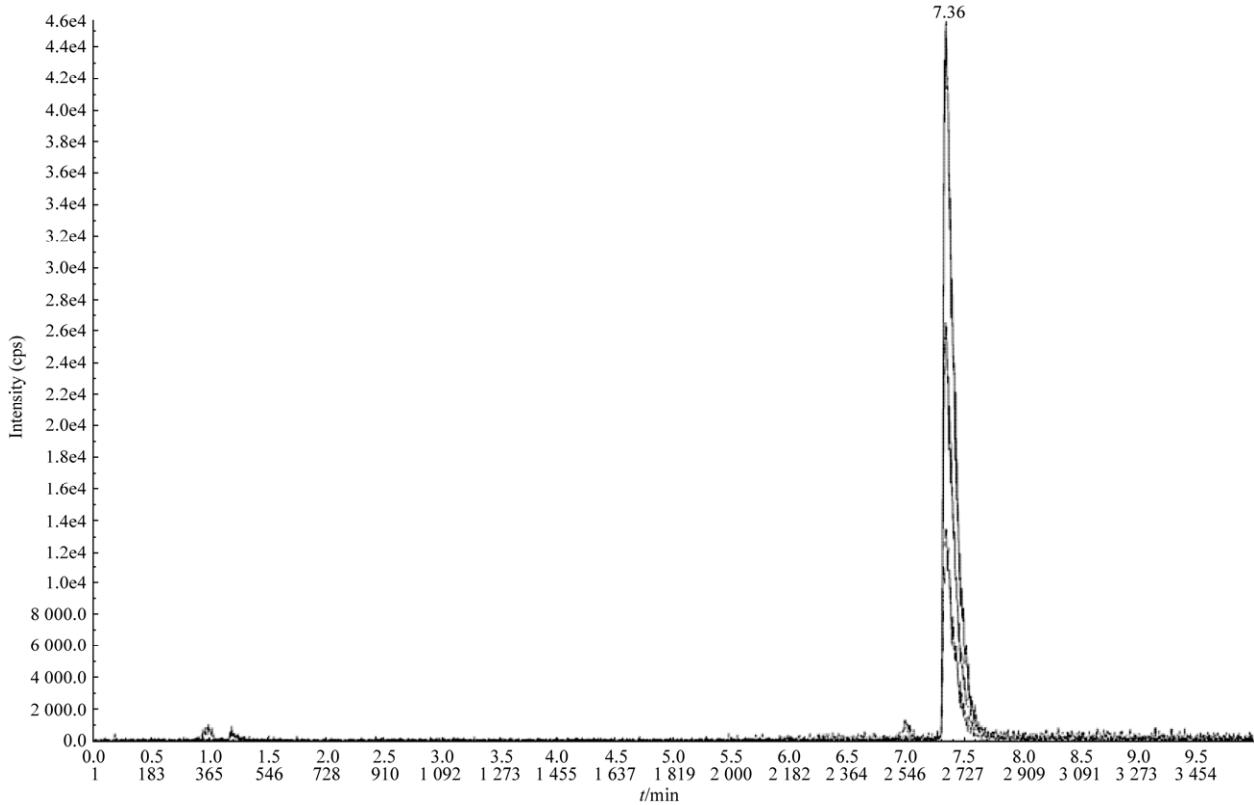
Figure 3 HPLC analysis of culture broth from strain K2. A, B and C are the chromatographic diagrams of the standards of glutamicin, fongamycin and natamycin, respectively. D, E and F are the chromatograms of glutamicin, fongamycin and natamycin in the culture broth of strain K2 under the same detection conditions.

K2 培养液在相同检测条件下与谷氏菌素和丰加霉素标准品具有相同保留时间的峰, 比纳他霉素标准品出峰保留时间滞后 0.531 s。在 LC-MS 检测分析(图 4)的结果中谷氏菌素、丰加霉素和纳他霉素标准品出峰保留时间分别为 7.36、1.59 min 和 3.73 min, 比对菌株 K2 培养液在相同检测条件下具有相同保留时间的峰。因此证实菌株 K2 培养液次级代谢产物中含有谷氏菌素、丰加霉素和纳他霉素。

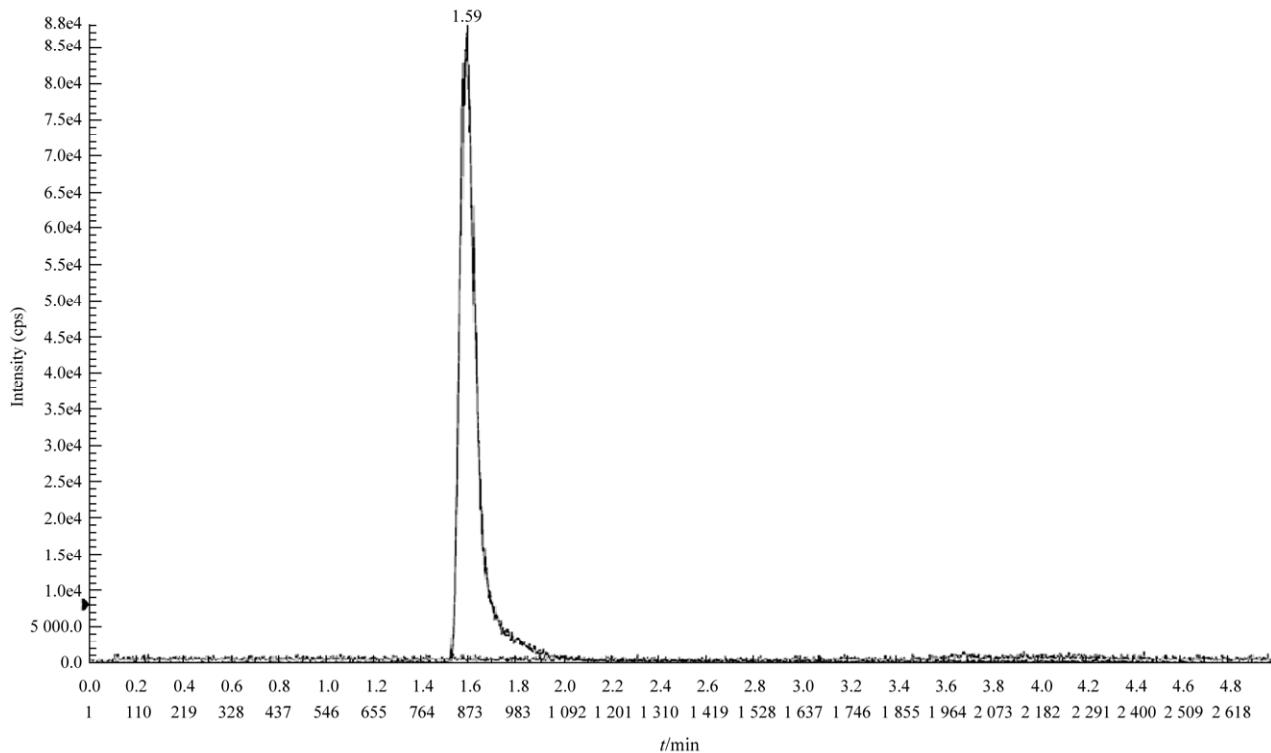
2.5 挥发性成分检测及鉴定

用顶空固相微萃取-气质联用的方法检测后

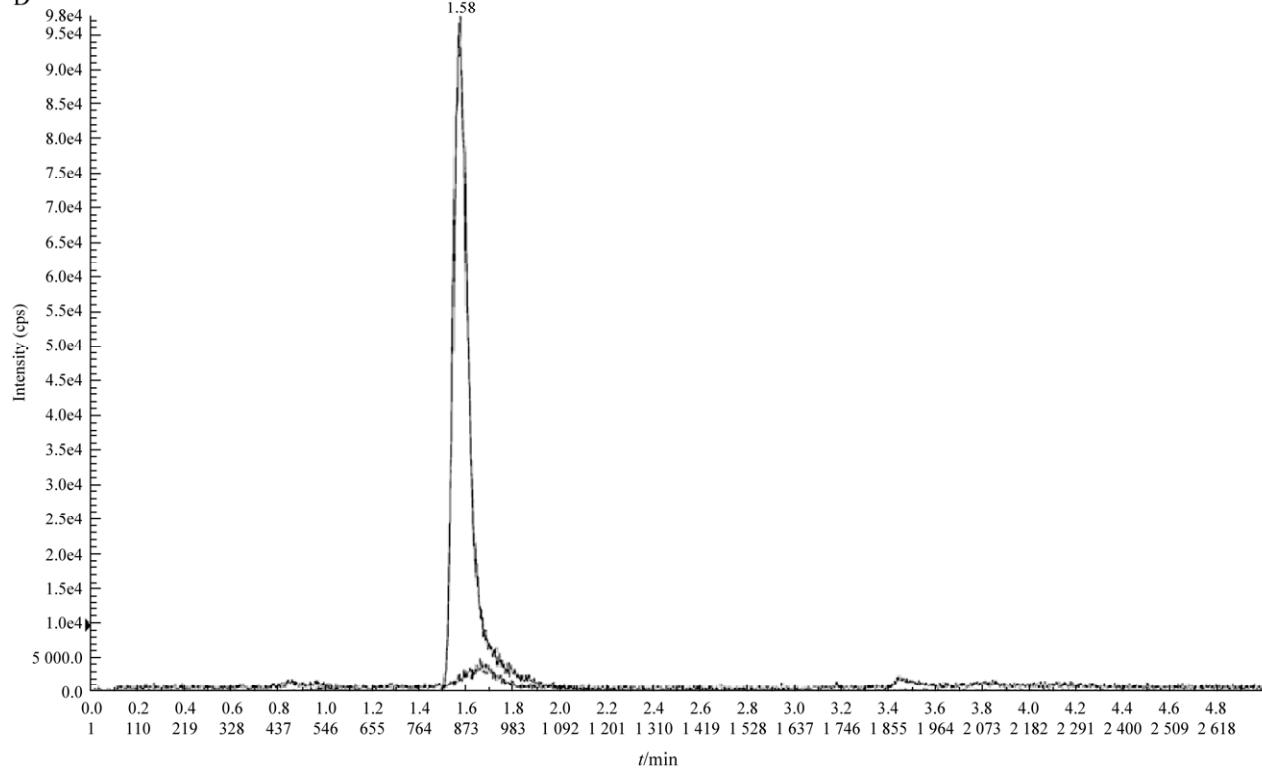
将检测结果与数据库进行比对, 鉴定菌株 K2 挥发性代谢产物。结果(表 7)表明, 菌株 K2 可产生 30 种挥发性物质, 它们多数属于烯类、醇类、酯类和烷烃类, 其中含量最高的是 2-methylisoborneol、1-undecene 和 p-menth-8-ene, 3-methylene 的含量次之。在所获得物质中有已报道能够抑制菌核病菌、尖镰孢和水稻纹枯病菌菌丝生长的 benzothiazole^[12], 还有对意大利青霉、白色念珠菌、大肠杆菌等有较强的抑菌活性的 β -pinene^[13]。所以, 推测菌株 K2 产挥发性物质的抑菌活性可能与这几种物质有关。

A**B**

C



D



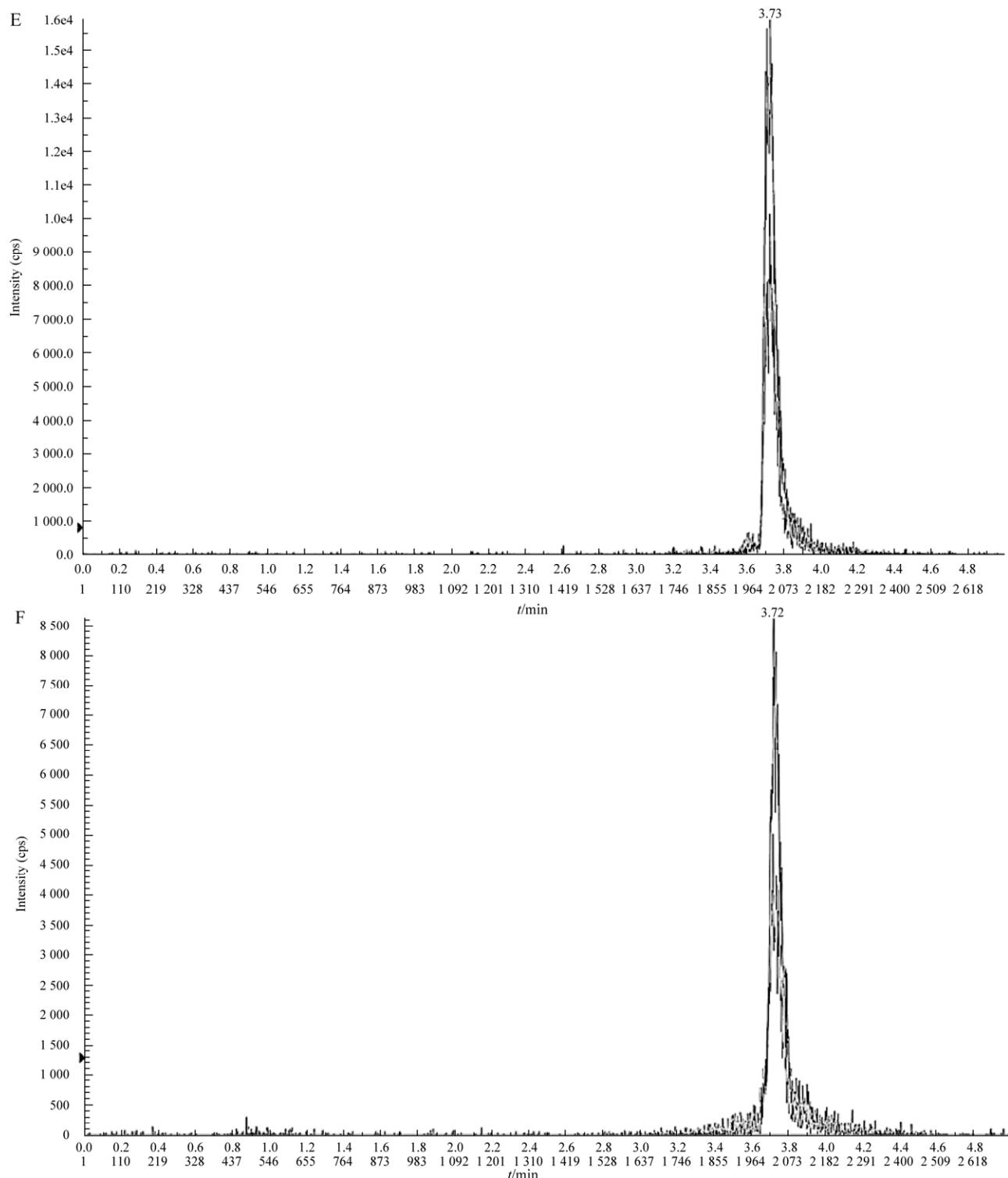


图 4 K2 菌株培养液 LC-MS 分析

Figure 4 LC-MS analysis of culture broth from strain K2. A and B are chromatograms of the standards of glutamicin and the culture broth of strain K2 under the same detection conditions, respectively; C and D are chromatographic diagrams of the standards of fongamycin and the culture broth of strain K2 under the same detection conditions, respectively; E and F are chromatographic diagrams of the standards of natamycin and the culture broth of strain K2 under the same detection conditions, respectively.

表 7 菌株 K2 在麦粒培养基上培养 10 d 产生的挥发性产物

Table 7 Volatile substances produced by strain K2 cultured on grain medium for 10 d

Compounds	Peak area percentage (%)
2-pentanone	0.10
Silanediol, dimethyl-	0.23
2-pentanol	0.19
2-octynoic acid	0.10
β-pinene	0.18
1,3-cyclopentadiene, 1,3-bis(1-methylethyl)-	3.13
2,4-cycloheptadien-1-one, 2,6,6-trimethyl-	1.38
p-menth-8-ene, 3-methylene-	15.82
Benzene, 1-methoxy-4-methyl-	0.83
1-pentene, 5-(2,2-dimethylcyclopropyl)-2-methyl-4-methylene-	0.20
1,4-undecadiene, (E)-	0.12
1-undecene	8.23
Benzene, 1,2-dimethoxy-	0.18
Benzene, 1,4-dimethoxy-	1.05
Benzene, 1,3-dimethoxy-	0.10
2-methylisoborneol	62.89
Pentanoic acid, 1,3,3-trimethylbicyclo[2.2.1]hept-2-yl ester	0.27
Oxirane, hexadecyl-	0.10
1,7,7-trimethylbicyclo[2.2.1]hept-5-en-2-ol	0.17
Benzothiazole	0.19
1,4-methano-1H-cyclohepta[d]pyridazine, 4,4a,5,6,7,8,9,9a-octahydro-10,10-dimethyl-	1.18
1,4-methano-1H-cyclohepta[d]pyridazine, 4,4a,5,6,7,8,9,9a-octahydro-10,10-dimethyl-	0.72
Spiro[4.5]decane, 6-methylene-	0.17
1,2,4-trimethoxybenzene	0.24
trans-1,10-dimethyl-trans-9-decalinol	1.20
Bicyclo[5.3.0]decane, 2-methylene-5-(1-methylvinyl)-8-methyl-	0.16
Thunbergol	0.11
Germacrene D	0.43
gamma.-elemene	0.10
3,7-cyclodecadiene-1-methanol,a,a,4,8-tetramethyl-, [S-(E,E)]-	0.23

3 讨论与结论

灰葡萄孢(*B. cinerea*)可侵染 200 多种植物, 被列为第二重要的植物病原菌^[14]。研究发现在灰霉病控制中长期单独使用某一类化学药剂易使灰葡萄孢产生抗药性, 造成防治效果降低^[15]。在绿色发展的倡导下, 开发利用有益微生物进行

生物防治是未来农药的发展的重要方向之一。放线菌是人类最早研究并利用的拮抗微生物, 链霉菌作为放线菌的主要类群, 在其生长发育过程中可产生多种对植物病原菌有抑制作用的次生代谢产物, 在控制植物真菌和细菌病害方面具有相当大的潜力^[16]。本研究对利迪链霉菌 K2 从培养液和产挥发性物质 2 种代谢途径进行抑菌活性

探究,进一步分析了有效抑菌活性成分,表明K2可产生具有很强抑菌活性的挥发性物质,具有开发成生物农药和生物熏蒸剂的潜能,也为后续对菌株K2的深入研究奠定了基础。

目前,在生物防治方面,利迪链霉菌主要作为植物根际促生菌,对西瓜、豌豆、棉花和玉米等作物均有较好的促生效果,且对镰刀菌(*Fusarium* spp.)、腐霉菌(*Phytophthora* spp.)和丝核菌(*Rhizoctonia* sp.)等病原真菌具有良好抑制作用^[17-18]。Deobald 和 Sabaratnam 等^[19-20]报道了利迪链霉菌的孢子制成的菌剂可以用来防治豌豆根腐病(*P. ultimum*)、番茄猝倒病(*R. solani*)等多种土传病害。而目前关于利迪链霉菌防治灰霉病的研究报道还不多。谢晨昭等^[21]利用淡紫灰链霉菌B1防治番茄灰霉病,其发酵上清液在离体叶片和活体植株上的防效分别为68.8%和64.0%;单丽萍等^[22]的研究发现白黄链霉TD-1发酵液可以抑制灰霉病菌的孢子萌发,提高番茄多酚氧化酶、过氧化物酶的酶活力,从而促进番茄更好地抵御植物病原真菌;唐德链霉菌发酵液对草莓灰霉病菌、桃褐腐病菌和黄瓜枯萎病菌等植物病原菌具有明显的抑菌活性^[23];链霉菌LA-5培养液对番茄果实灰霉病的防效可达83.4%^[24]。生防链霉菌的研究主要集中在其次生代谢过程中所产生的对病原菌有抑制作用的抗生素的筛选与利用,应用于防治植物病害的抗生素有春雷霉素、链霉素、武夷菌素、中生菌素和多抗霉素等^[25]。本研究中发现K2产生的次级代谢产物对灰霉病菌的抑制效果略高于菌株CK-15,对苹果腐烂病菌、苹果轮纹病菌、核盘菌、杨树溃疡病菌和烟草赤星病菌均具有较强的拮抗作用。高效液相色谱及液相色谱-质谱定性检测到该菌培养液中含有谷氏菌素、丰加霉素和纳他霉素。因此利迪链霉菌K2的次级代谢产物

具有一定的开发潜能。

文献中已报道了多种链霉菌产生的 VOCs,它们能显著抑制病原菌的生长从而有效的防治植物病害。邢梦玉^[26]从土壤中筛选出链霉菌菌株 TJGA-19、BWL-H1,产生的 VOCs 不仅能抑制荔枝霜疫霉菌丝生长,还能有效地预防荔枝霜疫病的发生,且 BWL-H1 产生的 VOCs 抑菌谱较广,能抑制 15 种病原菌;李其利^[10]的研究证实链霉菌 JK-1 产生的 VOCs 能够导致灰霉菌分生孢子异常,并能有效控制储藏期番茄的灰霉病和柑橘的青霉病;万明国^[27]发现普特拉链霉菌 F-1 产生的 VOCs 对水稻纹枯病、油菜菌核病和草莓灰霉病以及由细菌引起的青椒储藏期病害具有明显的防治效果;吕昂^[28]发现杨氏链霉菌 3-10 菌株小麦粒培养物用量为 17 g/L 时,能显著抑制黄曲霉和寄生曲霉侵染花生,用量为 86 g/L 时,几乎能完全抑制这 2 种真菌的生长繁殖,花生粒上也检测不到黄曲霉毒素。本研究证实了利迪链霉菌 K2 在麦粒培养基上产挥发性物质对灰霉病菌有较好的抑制效果,且这种抑菌作用强弱与 K2 产挥发性物质的量有关,挥发性成分中具有 benzothiazole 和 β-pinene,这为用利迪链霉菌 K2 研制果蔬贮藏期病害的生物熏蒸剂提供参考依据。

综上所述,利迪链霉菌 K2 具有良好的研发和应用潜力,是一株能有效防治灰霉病害的多功能菌种,可以用其开发成生产上防治灰霉病害的生防菌剂和防治采后储藏期果蔬灰霉病害的生物熏蒸剂。本研究进行的菌株抑菌活性测定为用 K2 研制新生物农药提供了依据,但今后对有关菌株发酵工艺、毒理试验和田间防效、菌株 K2 产挥发性物质的应用及其作用机理等仍需进一步深入试验研究。

参考文献

- [1] 童蕴慧, 纪兆林, 徐敬友, 陈夕军. 灰霉病生物防治研究进展[J]. 中国生物防治, 2003(3): 131-135.
- [2] 张莉, 张博源, 黄继红, 李琰歌, 杨艳君. 植物灰霉病生物防治研究进展[J]. 现代牧业, 2021, 5(2): 55-60.
- [3] HOU J, GAO YN, FENG J, MA Z, ZHANG X. Sensitivity of *Botrytis cinerea* to propamidine: *in vitro* determination of baseline sensitivity and the risk of resistance[J]. European Journal of Plant Pathology, 2010, 128(2): 261-267.
- [4] 王文丽, 金涵, 从炳成, 周蕾, 韦中, 王世梅. 复合微生物菌剂对番茄青枯病的生防效应[J]. 南京农业大学学报, 2022, 45(6): 1174-1182.
- [5] 武哲, 孙蕾, 刘彦彦, 王家旺, 张克诚. 生物农药武夷菌素对保护地番茄灰霉病的防治效果[J]. 中国农学通报, 2013, 29(25): 173-178.
- [6] CAZORLA FM, ROMERO D, PÉREZ-GARCÍA A, LUGTENBERG B, VICENTE AD, BLOEMBERG GV. Isolation and characterization of antagonistic *Bacillus subtilis* strains from the avocado rhizoplane displaying biocontrol activity[J]. Journal of Applied Microbiology, 2010, 103(5): 1950-1959.
- [7] TYC O, SONG C, DICKSCHAT JS, VOS M, GARBEVA P. The ecological role of volatile and soluble secondary metabolites produced by soil bacteria[J]. Trends in Microbiology, 2017, 25(4): 280-292.
- [8] SAPERS GM, GORNY JR, YOUSEF AE. 果蔬微生物学[M]. 陈卫, 田丰伟译. 北京: 中国轻工业出版社, 2011.
- [9] 马绪荣, 苏德模. 抗生素微生物检定法[M]. 北京: 科学出版社, 2001.
- [10] TONG YH, JI ZL, XU JY, CHEN XJ. Research progress on biological control of gray mold[J]. Chinese Journal of Biological Control, 2003(3): 131-135 (in Chinese).
- [11] LI QL. Identification, biocontrol potential and mode of action of *Streptomyces JK-1*[D]. Wuhan: Master's Thesis of Huazhong Agricultural University, 2011 (in Chinese).
- [12] ZHANG CH. Study on the inhibiting of volatiles produced by *Streptomyces alboflavus* TD-1 on *Botrytis cinerea*[D]. Tianjin: Master's Thesis of Tianjin University of Science & Technology, 2015 (in Chinese).
- [13] RAZA W, YUAN J, LING N, HUANG Q, SHEN Q. Production of volatile organic compounds by an antagonistic strain *Paenibacillus polymyxa* WR-2 in the presence of root exudates and organic fertilizer and their antifungal activity against *Fusarium oxysporum* f. sp. *niveum*[J]. Biological Control, 2015, 80: 89-95.
- [14] WANG MH, WANG M, YANG SZ, SU XJ, DAI M, PENG LT. Possible action mode of beta-pinene against *Penicillium italicum*[J]. Journal of Huazhong Agricultural University, 2018, 37(6): 91-97 (in Chinese).
- [15] ZHANG W, QIAO GH, HUANG JB, WANG ZY, LI XH. Evaluation on resistance of grape gray mold pathogen *Botrytis cinerea* to pyrimethanil in China[J]. Scientia Agricultura Sinica, 2013, 46(6): 1208-1212 (in Chinese).
- [16] DAI Y, WU XR, CHEN YJ. Advances in strategies for activating silent biosynthetic gene clusters in 2011 (in Chinese).

- Streptomyces*[J]. Journal of China Pharmaceutical University, 2019, 50(4): 379-388 (in Chinese).
- [17] YUAN WM, CRAWFORD DL. Characterization of *Streptomyces lydicus* WYEC 108 as a potential biocontrol agent against fungal root and seed rots[J]. Applied and Environmental Microbiology, 1995, 61(8): 3119-3128.
- [18] 孙洪宝, 李茂营, 吴慧玲, 郭绍贵, 张洁, 任毅, 张海英, 宫国义, 许勇. 生防菌链霉菌对西瓜枯萎病防治及幼苗生长的影响[J]. 科学技术与工程, 2020, 20(13): 5074-5079.
- SUN HB, LI MY, WU HL, GUO SG, ZHANG J, REN Y, ZHANG HY, GONG GY, XU Y. Biocontrol and plant growth promoting effects of *Streptomyces* against *Fusarium* wilt in watermelon[J]. Science Technology and Engineering, 2020, 20(13): 5074-5079 (in Chinese).
- [19] DEOBALD LA. Isolation and characterization of *Streptomyces* strains antagonistic to phytopathogenic fungi and analysis of antibiotics potentially involved in disease control[D]. America: Doctoral Dissertation of University of Idaho, 2004.
- [20] SABARATNAM S, TRAQUAIR JA. Formulation of a *Streptomyces* biocontrol agent for the suppression of *Rhizoctonia* damping-off in tomato transplants[J]. Biological Control, 2002, 23(3): 245-253.
- [21] 谢晨昭, 杨毅玲, 李磊, 李金云, 王建辉, 王慧敏. 拮抗放线菌 B1 菌株鉴定及其防治番茄灰霉病的初步研究[J]. 植物保护学报, 2008(4): 300-306.
- XIE CZ, YANG YL, LI L, LI JY, WANG JH, WANG HM. Taxonomy of antagonistic strain B1 and control effect of tomato gray mould[J]. Acta Phytotaxonomica Sinica, 2008(4): 300-306 (in Chinese).
- [22] 单丽萍, 王昌禄, 李贞景, 陈勉华, 李凤娟. 链霉菌 TD-1 对番茄灰霉病菌的抑制及防御酶活性的影响[J]. 华北农学报, 2015, 30(2): 100-103.
- SHAN LP, WANG CL, LI ZJ, CHEN MH, LI FJ. Inhibitory effect of *Streptomyces alboflavus* TD-1 against *Botrytis cinerea* and its effect on defensive enzymes activity[J]. Acta Agriculture Boreali-Sinica, 2015, 30(2): 100-103 (in Chinese).
- [23] 赵娟, 贾卫国, 刘伟成, 刘德文, 张殿朋, 卢彩鸽. 草莓灰霉病菌拮抗放线菌的筛选及活性测定[J]. 北方园艺, 2018(4): 59-65.
- ZHAO J, JIA WG, LIU WC, LIU DW, ZHANG DP, LU CG. Screening of antagonistic actinomycete against strawberry grey mold and activity determination of its fermentation broth[J]. Northern Horticulture, 2018(4): 59-65 (in Chinese).
- [24] 李培谦, 冯宝珍, 李新秀, 郝号永. 番茄灰霉菌拮抗放线菌 LA-5 的筛选及鉴定[J]. 应用生态学报, 2018, 29(12): 4172-4180.
- LI PQ, FENG BZ, LI XX, HAO HY. Screening and identification of antagonistic actinomycete LA-5 against *Botrytis cinerea*[J]. Chinese Journal of Applied Ecology, 2018, 29(12): 4172-4180 (in Chinese).
- [25] IKENO S, AOKI D, HAMADA M, HORI M, TSUCHIYA KS. DNA sequencing and transcriptional analysis of the kasugamycin biosynthetic gene cluster from *Streptomyces kasugaensis* M338-M1[J]. The Journal of Antibiotics, 2006, 59(1): 18-28.
- [26] 邢梦玉. 两株链霉菌对荔枝霜疫病的防病潜力和防病机理研究[D]. 广州: 华南农业大学博士学位论文, 2017.
- XING MY. Study on biocontrol potential and antifungal mechanism of *Streptomyces* TJGA-19 and BWL-H1 against litchi downy blight[D]. Guangzhou: Master's Thesis of South China Agricultural University, 2017 (in Chinese).
- [27] 万明国. 源于水稻的链霉菌菌株 F-1 的鉴定及其防病潜力和防病机制研究[D]. 武汉: 华中农业大学博士学位论文, 2008.
- WANG MG. Characterization of the identity and biocontrol potential of a strain of *Streptomyces* F-1 isolated from rice[D]. Wuhan: Master's Thesis of Huazhong Agricultural University, 2008 (in Chinese).
- [28] 吕昂. 链霉菌 3-10 抗真菌代谢产物鉴定及防病潜力评估[D]. 武汉: 华中农业大学博士学位论文, 2017.
- LV A. Identification of the antifungal metabolites from *Streptomyces* sp. 3-10 and evaluation of their efficacy against plant fungal diseases[D]. Wuhan: Master's Thesis of Huazhong Agricultural University, 2017 (in Chinese).



冉隆贤, 荷兰乌特勒支大学(UTRECHT UNIVERSITY)博士毕业。现任河北农业大学林学院教授、博士生导师。曾任河北农业大学植物保护学院院长(2006–2008)、河北农业大学国际合作处处长(2008–2018)。担任中国林学会森林病理分会常务理事、河北省植物病理学会理事。主要从事植物病害生物防治、诱导抗病性和综合治理技术研究。主持国家自然科学基金 4 项、教育部和其他省部级课题 10 余项。发表论文 80 多篇, SCI 收录 11 篇, EI 收录 3 篇, 出版专著、教材 6 部, 获国家专利 4 项, 制定河北省地方标准 1 个。先后应邀到美国、阿根廷、荷兰、西班牙和印度等国参加国际学术会议 9 次。培养博士和硕士研究生 30 多名。